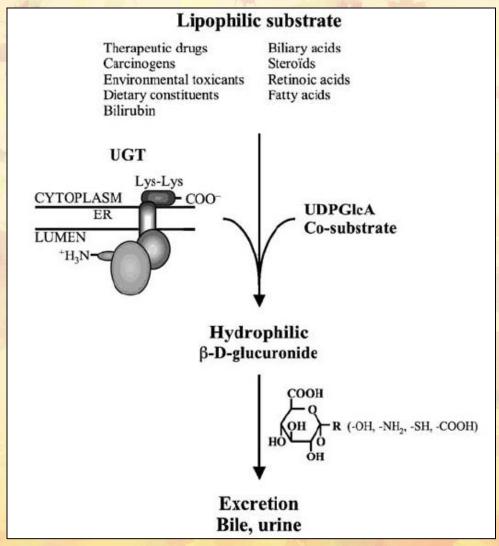
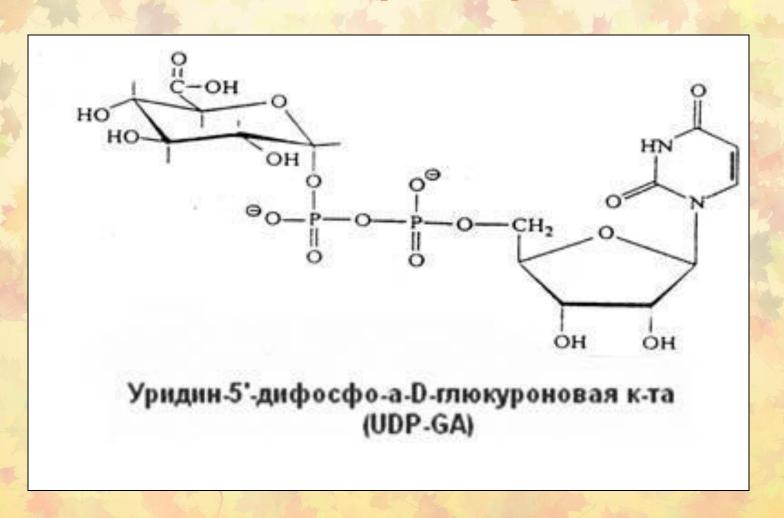
2-я фаза метаболизма ксенобиотиков и эндогенных соединений

- Глюкуронидация
- Сульфонирование
- Ацетилирование
- Метилирование
- Конъюгация с глютатионом (синтез меркаптуровой кислоты)
- Конъюгация с аминокислотами, такими как глицин, тауриновая, глютаминовая кислоты.

УДФ-глюкуронозилтрансфераза (UGT)



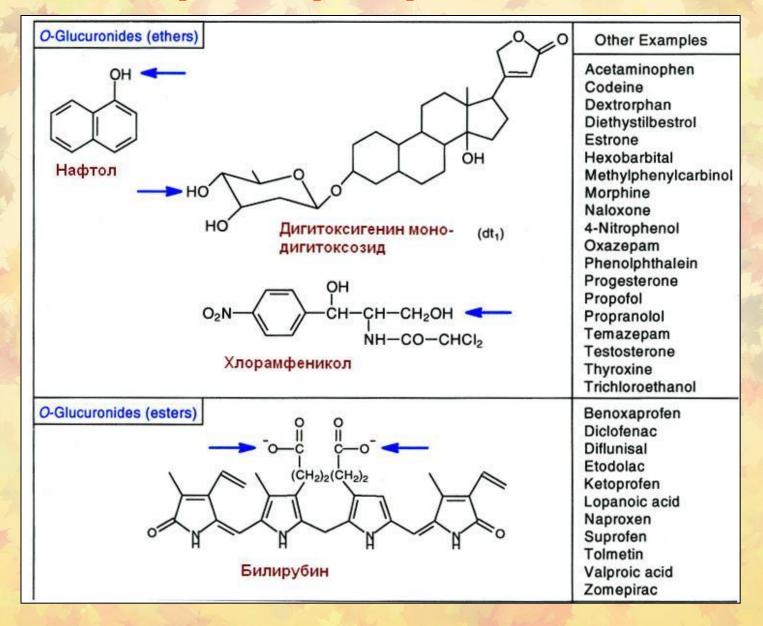
1. Реакции глюкуронидации Кофактор



Синтез УДФ-глюкуроновой кислоты

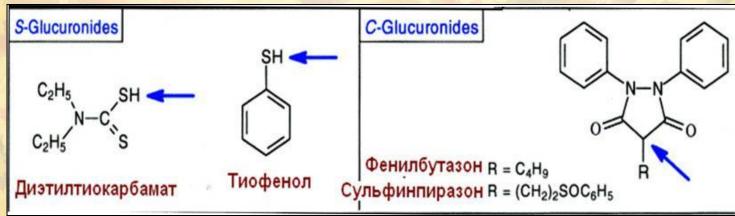
Реакция глюкуронидации

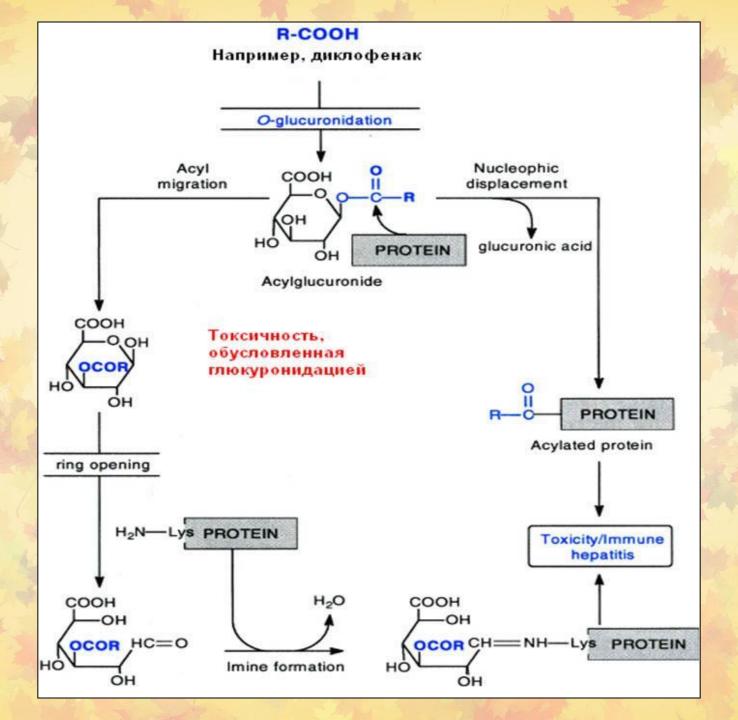
Примеры реакций



Примеры реакций



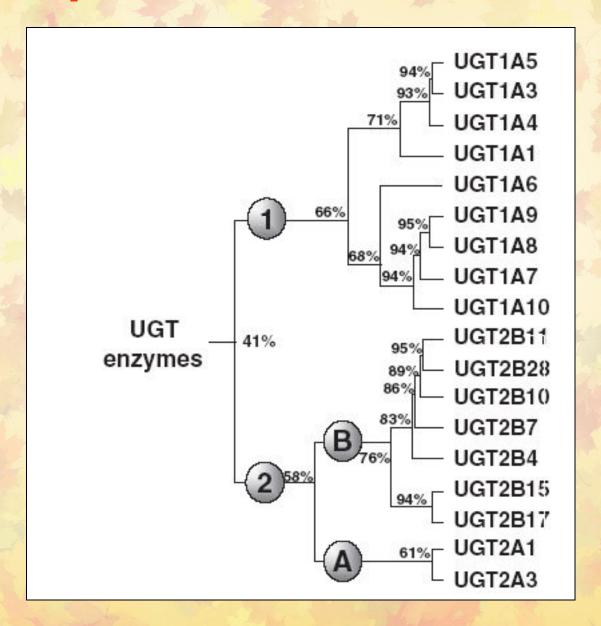




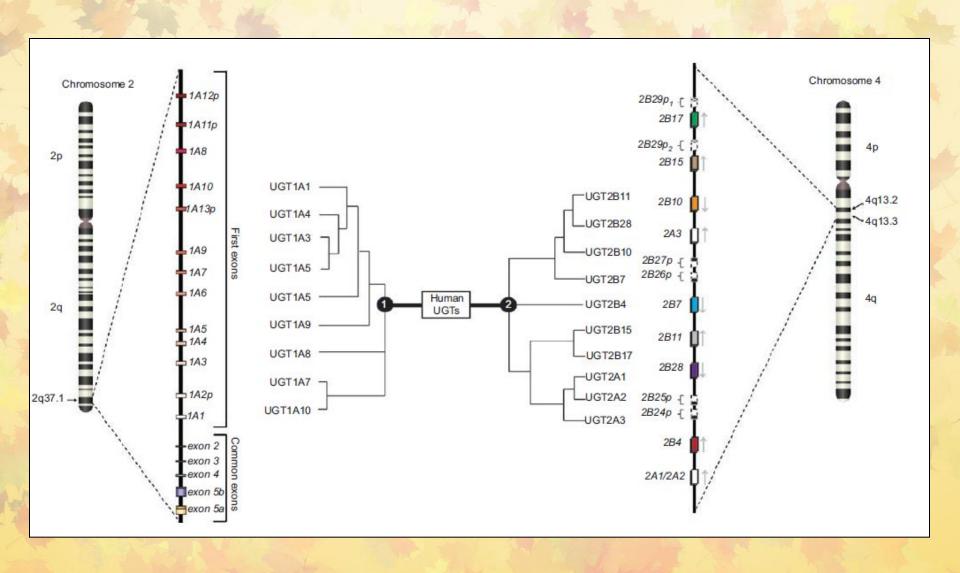
Субстраты для UGTs (UGTs; EC 2.4.1.17)

- Эндогенные субстраты: билирубин, стероидные гормоны, тиреоидные гормоны, желчные кислоты, жирорастворимые витамины.
- Экзогенные субстраты: лекарства, химические канцерогены, загрязнители окружающей среды, компоненты диеты)

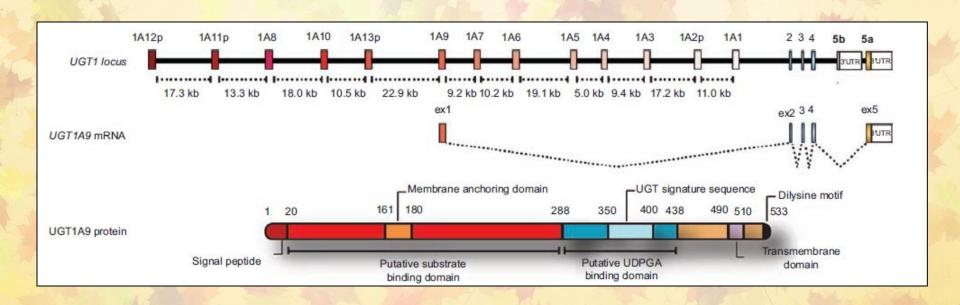
Классификация UGTs человека



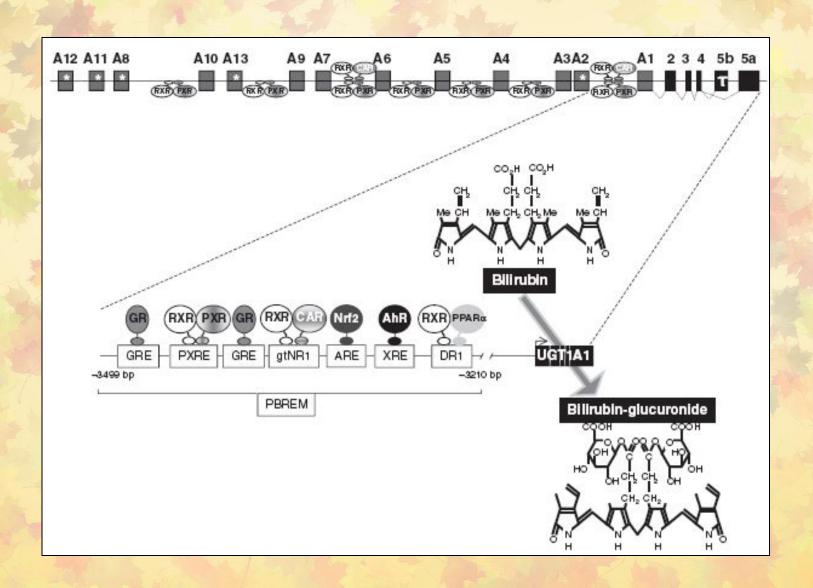
Локализация генов



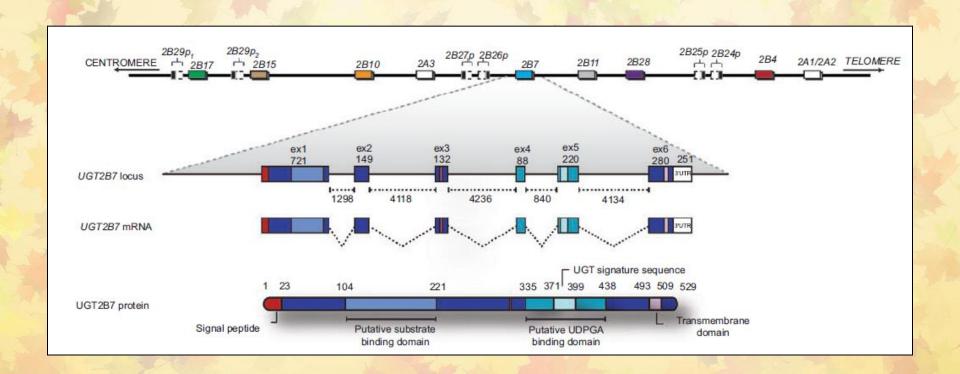
Свойства UGT1A



Свойства UGT1A1



Свойства UGT2B

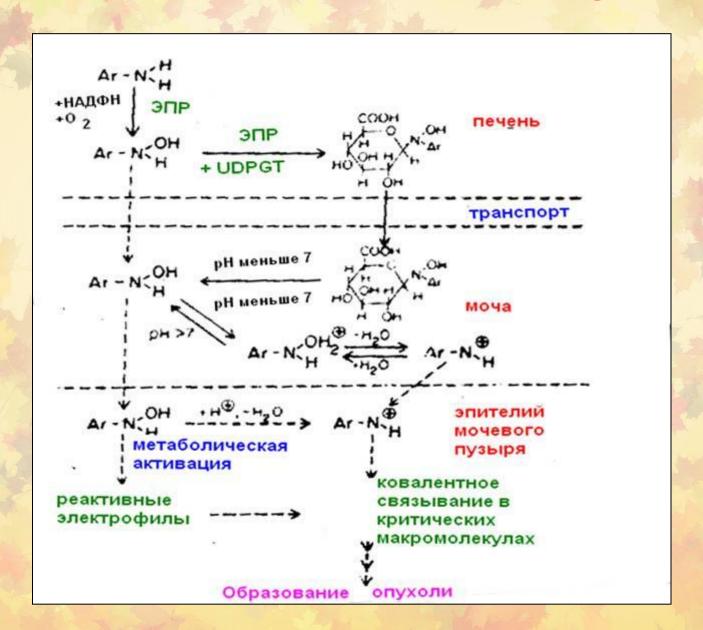


Регуляция экспрессии генов ферментов 2-й фазы

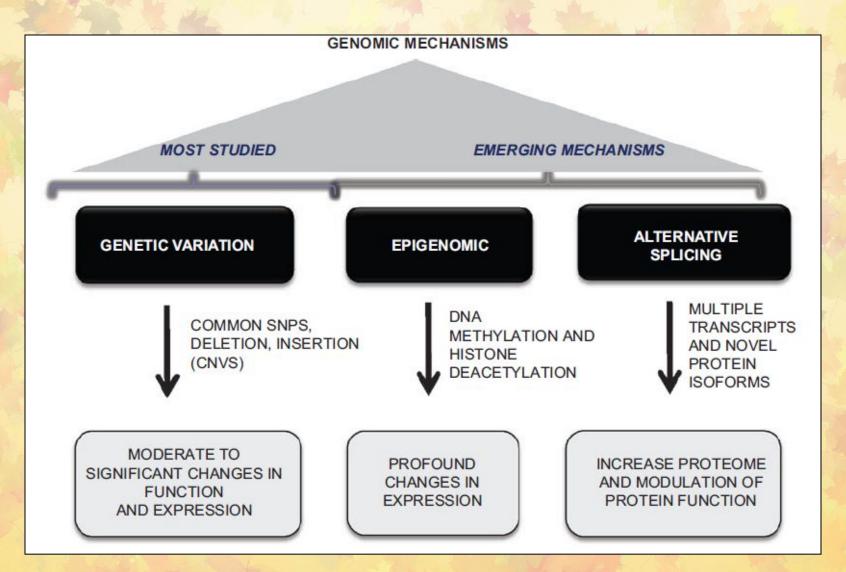
PXR^a	CAR		
UGT1A1 ↑ (HepG2, Caco-2, L-I, Tg mice)	UGT1A1 ↑ (HH)		
UGT1A3 ↑ (HepG2, Caco-2, L-I, Tg mice)	UGT1A6 ↑ (HH)		
UGT1A4 ↑ (HepG2, Caco-2, L-I, Tg mice)	GSTA2 ↑ (HH)		
UGT1A6 ↑ (HepG2, L-I, Tg mice)	SULT1A1 ↑ (HH)		
UGT1A9 ↑ (L-I, Tg mice)	SULT2A1 ↑ (HepG2)		
UGT1A5 ↑ (I, Tg mice)	SULT1A2 ↑ (HepG2)		
UGT1A10 ↑ (I, Tg mice)	NAT1 ↑ (HepG2)		
SULT2A1 ↑ (HepG2, HH)			

Метаболизм морфина (UGT2B7)

УДФ-ГТ и рак мочевого пузыря



Факторы, определяющие индивидуальный фенотип UGT



2. Сульфонирование

- Судьфонируются соединения м.м. от 10 000 до 1 000 000 и выше.
 Метаболиты (сульфонаты) имеют рК 1,5
 - остаются полностью ионизированными
- Сера в клетке существует в виде SO₄²-

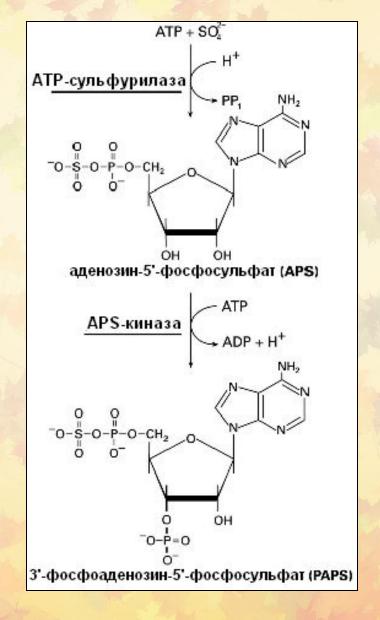
в биологических системах.

Субстраты

- Ксенобиотики
- Гормоны
- Глюкозоаминоглюканы и протеогликаны
- Низкомолекулярные клеточные компоненты (катехоламины, иодотирозины, витамин С.

PAPS – уникальный донор SO_3

Синтез кофактора



PAPS-деградирующие ферменты

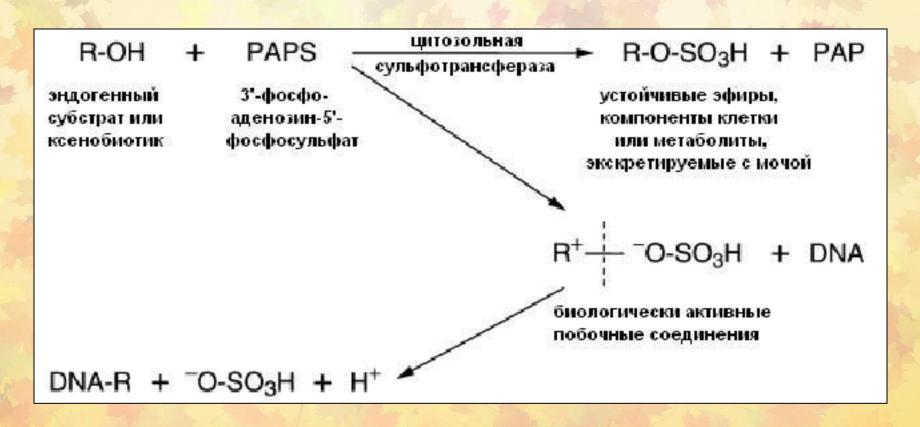
Содержание PAPS:

- У крыс в печени и почках до 160 и 50 нмоль/г ткани
- В других органах 20 нмоль/г ткани
- У человека 24 нмоль/г ткани

SULT в метаболизме ксенобиотиков

$$PAPS + CH_3CH_2OH \longrightarrow PAP + CH_2CH_2OSO_3H$$

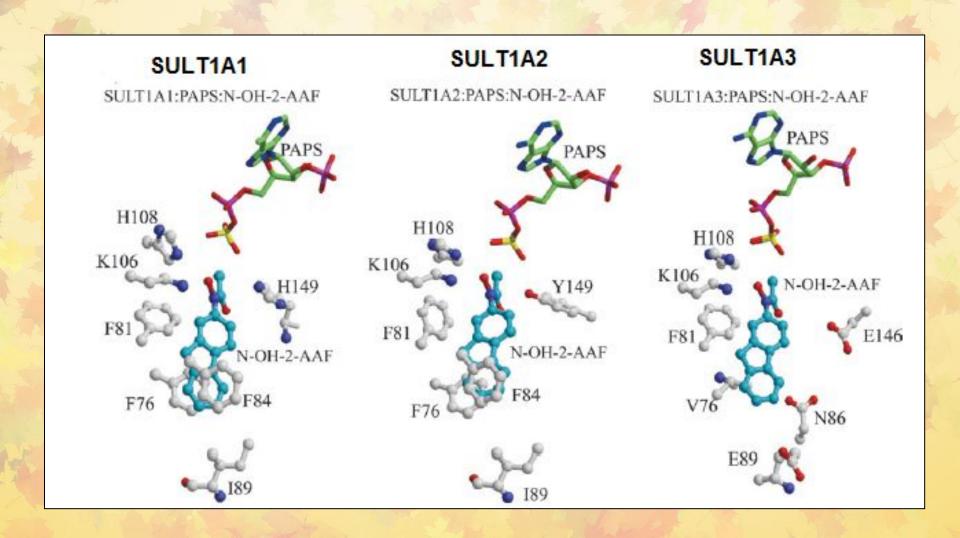
Схематичное изображение реакции сульфонирования, в результате которой образуются устойчивые соединения или биологически активные побочные продукты, связывающиеся с нуклеиновыми кислотами и вызывающие повреждения ДНК



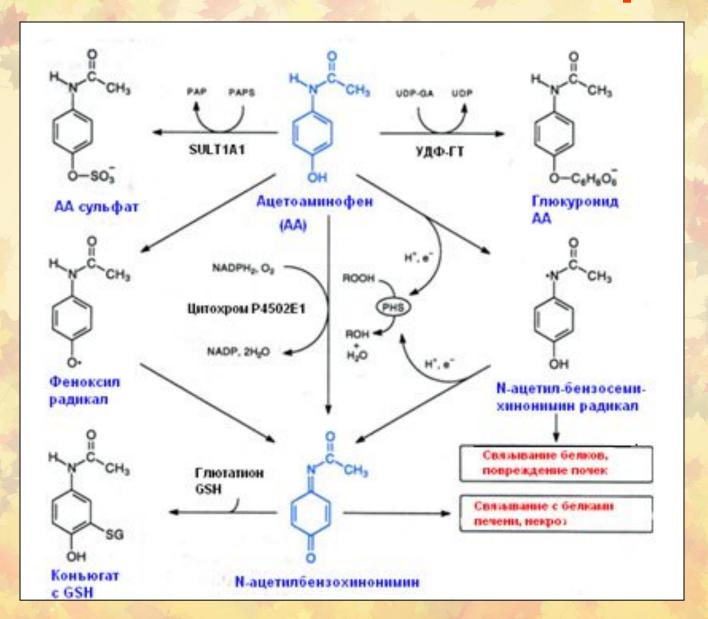
Структура SULT1A1 человека в комплексе с 3'фосфоаденозин-5'-фосфат (PAP) и р-нитрофенолом



Взаимодействие SULT с канцерогенами



Активация ацетоаминофена



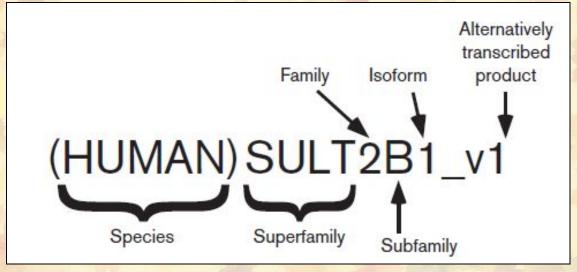
Регуляция экспрессии генов ферментов 2-й фазы

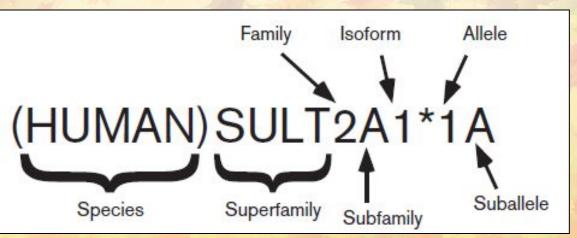
PXR ^a	CAR		
UGT1A1 ↑ (HepG2, Caco-2, L-I, Tg mice)	UGT1A1 ↑ (HH)		
UGT1A3 ↑ (HepG2, Caco-2, L-I, Tg mice)	UGT1A6 ↑ (HH)		
UGT1A4 ↑ (HepG2, Caco-2, L-I, Tg mice)	GSTA2 ↑ (HH)		
UGT1A6 ↑ (HepG2, L-I, Tg mice)	SULT1A1 ↑ (HH)		
UGT1A9 ↑ (L-I, Tg mice)	SULT2A1 ↑ (HepG2)		
UGT1A5 ↑ (I, Tg mice)	SULT1A2 ↑ (HepG2)		
UGT1A10 ↑ (I, Tg mice)	NAT1 ↑ (HepG2)		
SULT2A1 ↑ (HepG2, HH)			

AHR-регулируемые гены

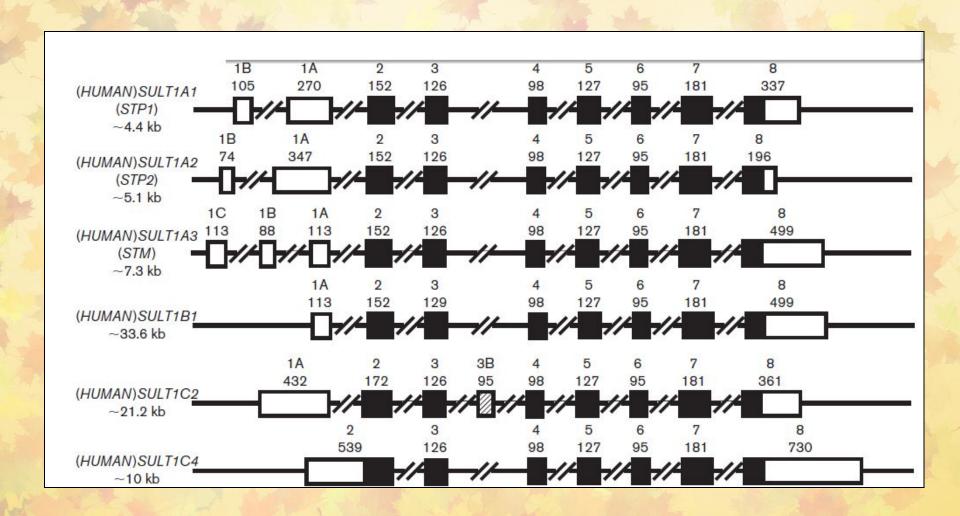
AhR^a Human UGT1A1 ↑ (HepG2, L; Tg mice) UGT1A6 ↑ (HepG2, L; Tg mice) UGT1A3 ↑ (L-I; Tg mice) UGT1A4 ↑ (L-I; Tg mice) UGT1A5 ↑ (I; Tg mice) UGT1A7 ↑ (I; Tg mice) UGT1A8 ↑ (I; Tg mice) UGT1A9 ↑ (L-I; Tg mice) UGT1A10 ↑ (I; Tg mice) SULT1A1 ↑ (HepG2) SULT1A2 ↑ (HepG2) SULT2A1 ↑ (HepG2) GSTM1 ↑ (HepG2) NAT1 ↑ (HepG2) mEPHX ↑ (HepG2) COMT ↑ (mammary gland cells) GSTA1 ↑ (HH) GSTA2 ↑ (HH)

Hоменклатура SULTs и аллельных вариантов

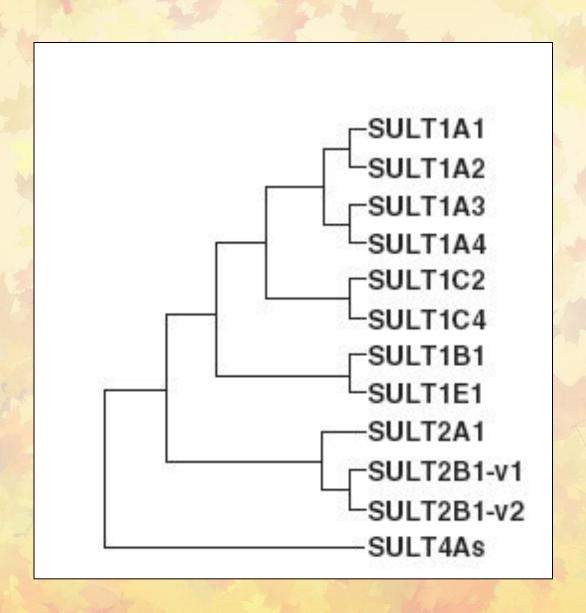




Генная структура SULTs



Филогения SULTs человека



СУБСТРАТЫ ДЛЯ СУЛЬФОТРАНСФЕРАЗ (SULT) ЧЕЛОВЕКА

1A1	1A2	1A3	1B1	1C1	1C2	1E1	2A1	2B1a	2B1b
Простые фенолы	Простые фенолы	Кате- холамины	Простые фенолы	N-OH-2 Ацетами- нофен	?	Эстрон	DHEA	DHEA	DHEA
Катехолы	Катехолы	Катехолы	Катехолы			Эстрадиол	Прег- ненолон		
Минокси- дил		Тирамин	Иодо- тиронины			Эстриол	Холе- стерол		
Парацета- мол		Изопре- нолин				Тироксин	ОН- ПАУ		
Гидрокси- ламины		Добутамин				дэсэ	Кортизол		
Иодотиро- нины							Тесто- стерон		

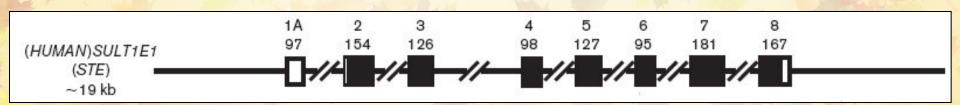
Расовые частоты аллелей SULT

Paca	N	SULT1A1*1	SULT1A1*2	SULT1A1*3
Белые	242	0.656	0.332	0.012
Китайцы	290	0.914	0.080	0.006
Афро-американцы	70	0.477	0.294	0.229
		SULT1A2*1	SULT1A2*2	SULT1A2*3
Белые	- District Control of the Control of	0.507	0.389	0.104
Китайцы	1	0.924	0.076	нет
Афро-американцы		0.637	0.249	0.114

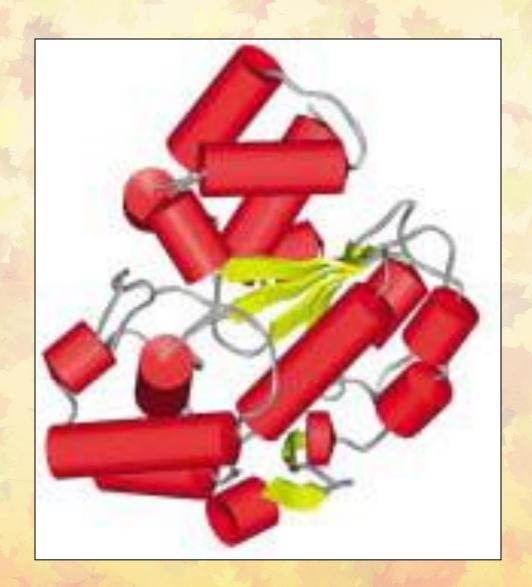
Ферментативная реакция, осуществляемая эстрогеновой сульфотрансферазой

Структура гена SULT1E1.

Черными прямоугольниками обозначены кодирующие участки, белыми – некодирующие. Числа под номерами экзонов обозначают их длину в п.о.



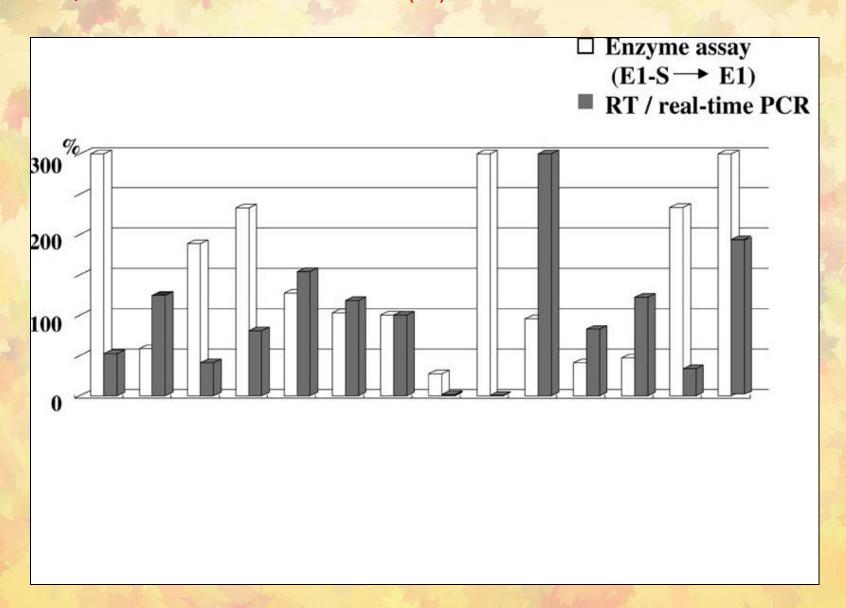
Кристаллическая структура эстрогеновой сульфотрансферазы (SULT1E1)



Каталитический центр сульфотрансферазы

- а) взаимодействие 5'-фосфатной группы PAPS с консервативными каталитическими остатками в mSULT1E1.
- b) механизм сульфонирования, предложенный на основе структуры

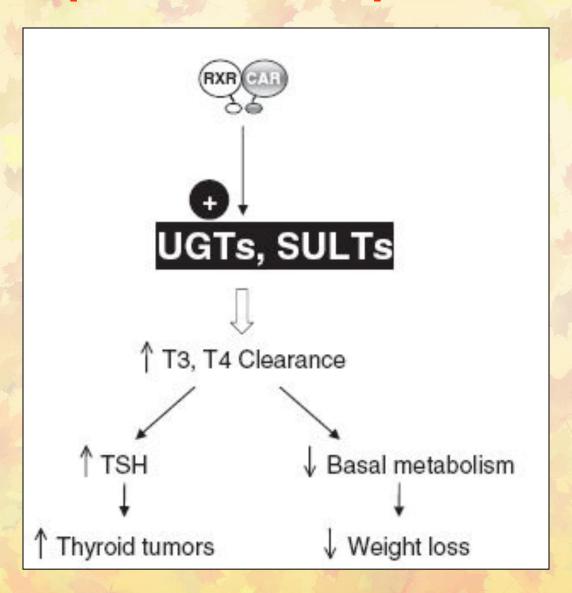
Ферментативная активность SULT1E1 и экспрессия мРНК в тканях человека. Уровень мРНК и ферментативная активность SULT1E1 оценивались как отношение (%) к тем же величинам в печени



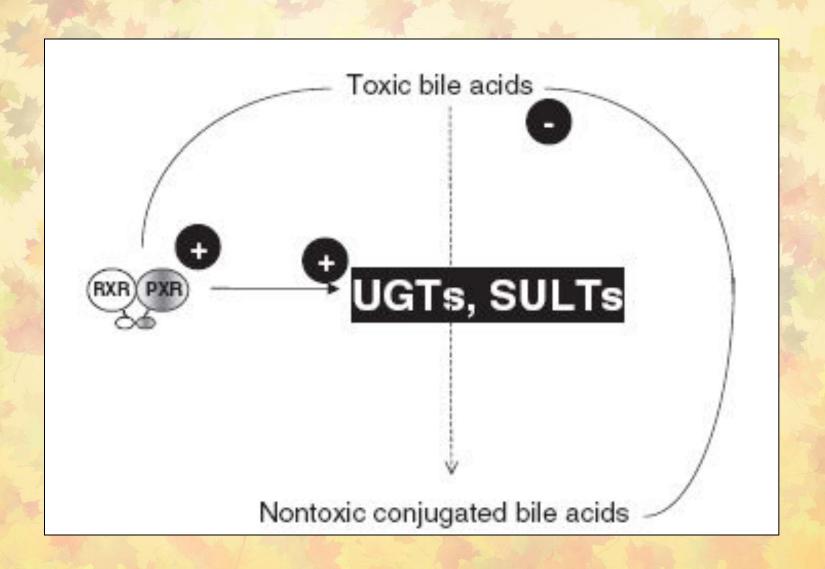
Сульфотрансфераза в метаболизме тиреоидных гормонов

DIT

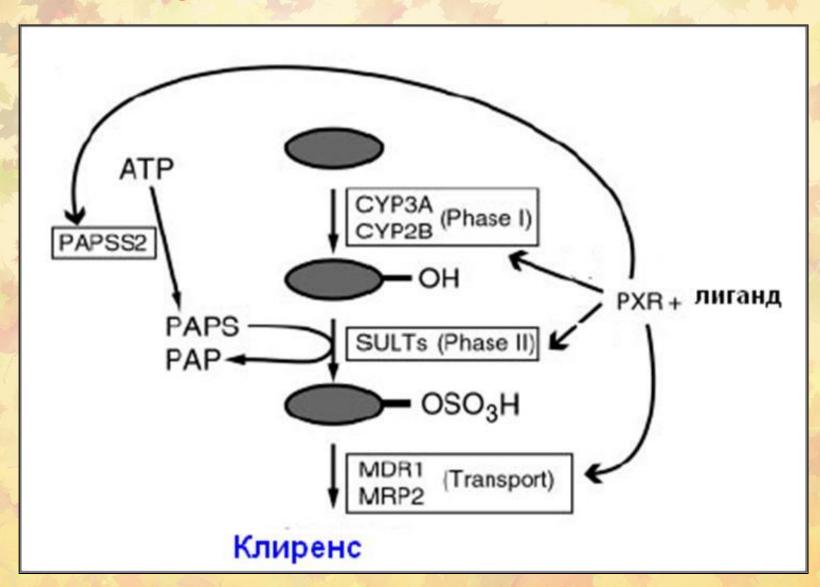
Роль UGTs и SULTs в метаболизме тиреоидных гормонов



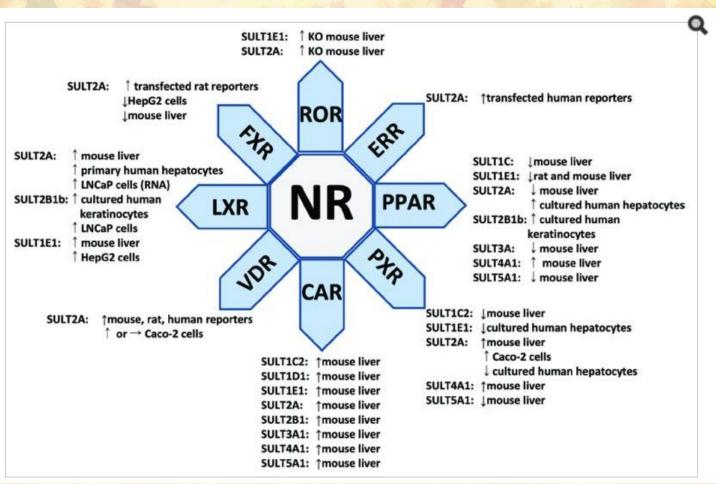
Метаболизм желчных кислот



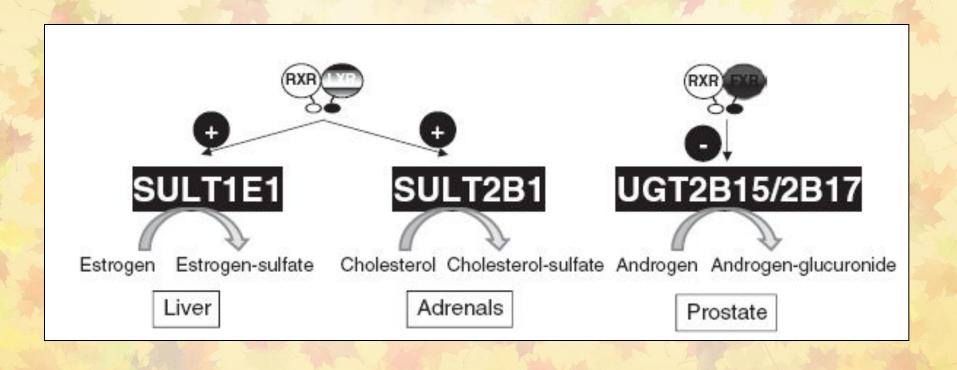
Координированная регуляция сульфонирования РХR



Интегральная схема регуляции SULT



FXR и LXR в регуляции метаболизма ЭС



Сульфонация катехоламинов

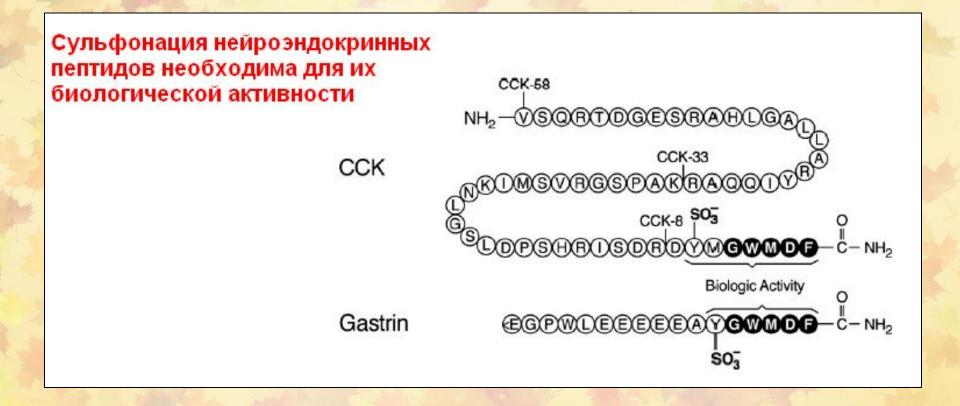
DA - допамин

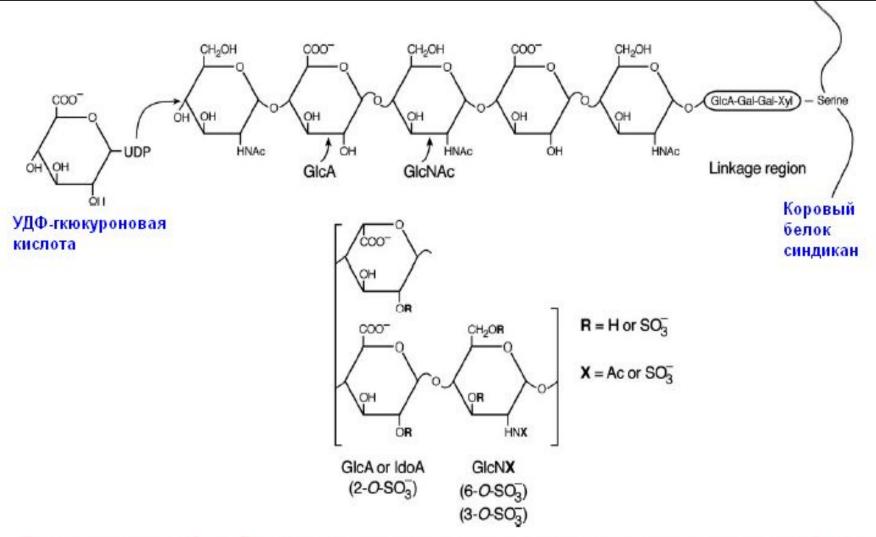
NE - норэпинефрин

Е - эпинефрин

SULT- сульфотрансфераза

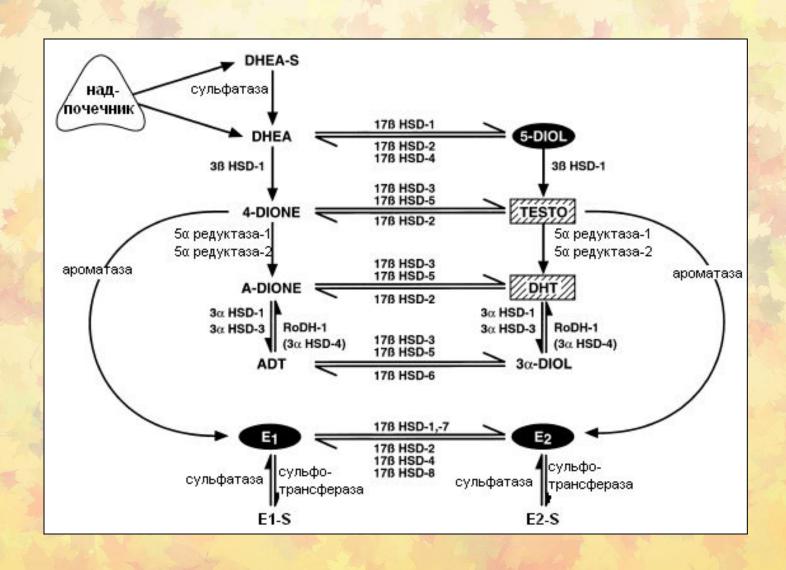
1A3

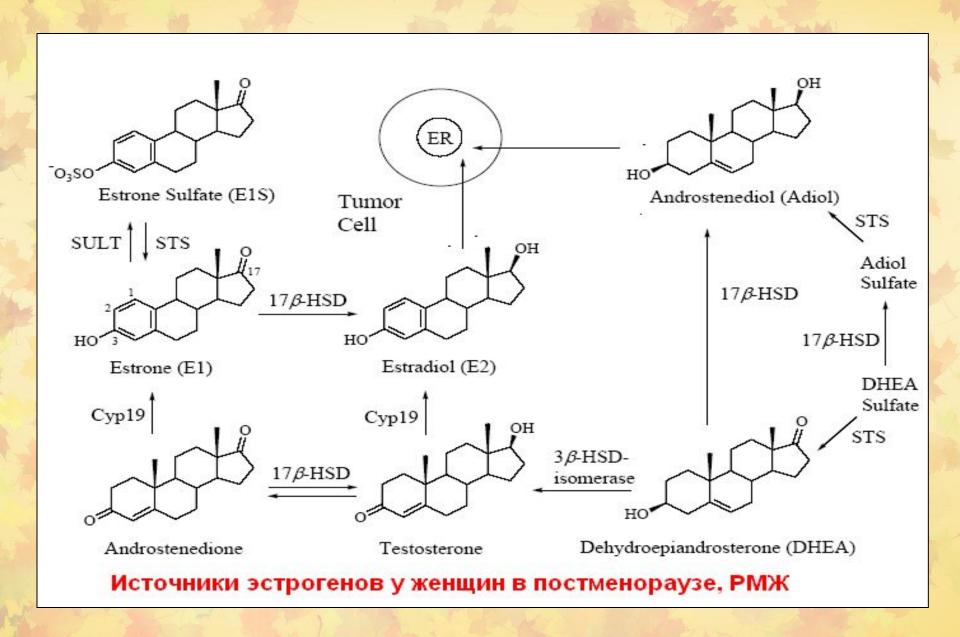


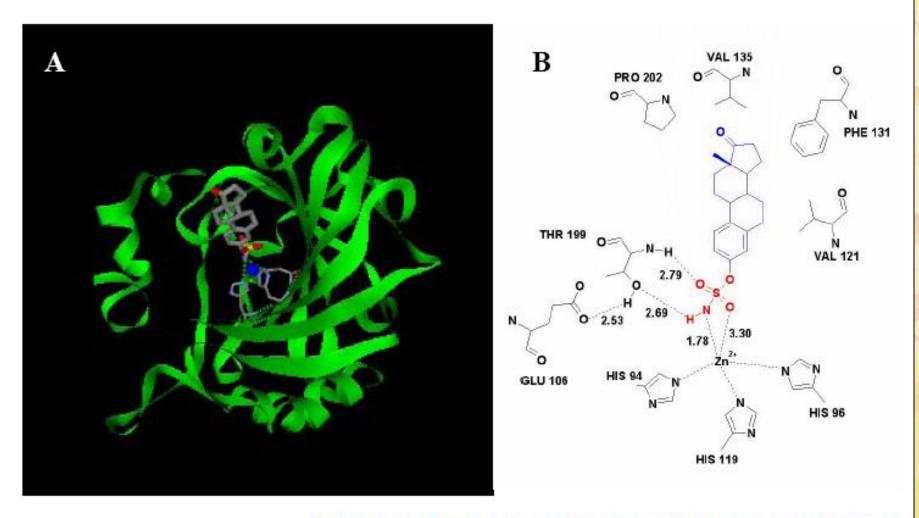


Синтез гепаран сульфата. Растущая цепь глюкозоаминогликана ковалентно связана с коровым белком синдеканом. Гепаран сульфат синтезируется как альтернативный полимер глюкуроновой кислоты и Nацетилглюкозоамина.

Пути биосинтеза стероидных гормонов из сульфонированных стероидов

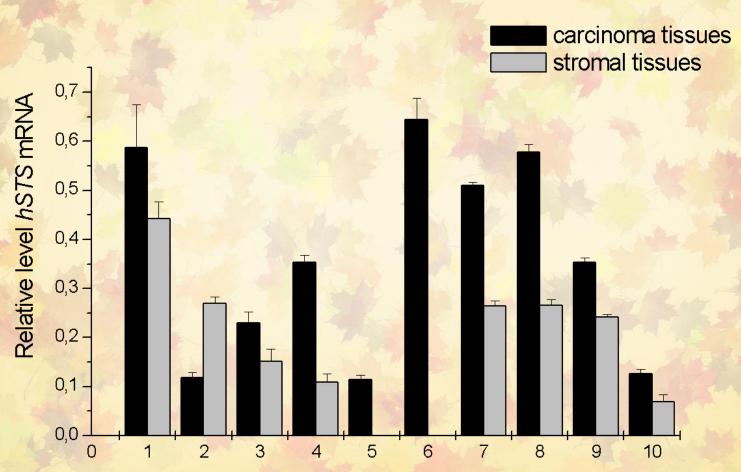






Предполагаемый механизм действия сульфатазы

STS в раковых тканях человека

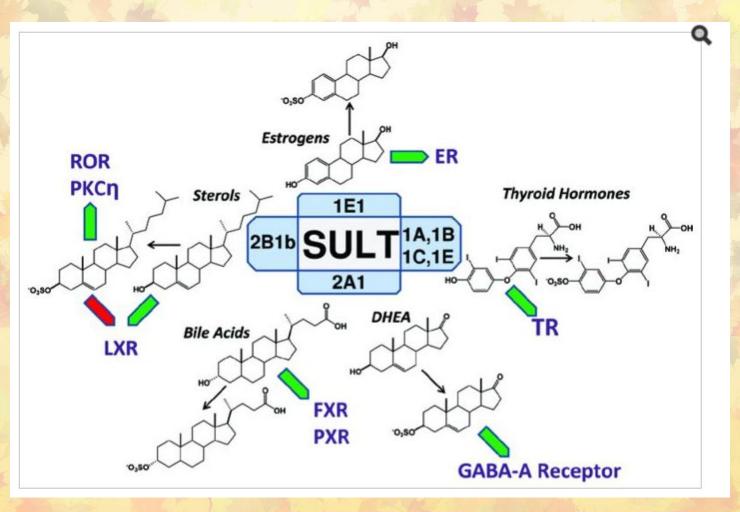


Представлено среднее значение ± SD. Каждый эксперимент проводился трижды. Отличия значений с достоверностью: * - p < 0.01, ** - p < 0.05, *** - p < 0.1.

3. Реакции, катализируемые глутатион S-трансферазами

- ГЅТ могут катализировать нуклеофильные производные ароматических соединений, эпоксидов, восстановление гидропероксидов с образованием GSSG.
- Транспортные системы, выводящие конъюгаты:
- GS-X-насос (АТФ-зав.)
- МОАТ (Множественный транспортер органических ионов
- Dnp-GS (динитрофеноловый транспортер)
- MRP (Гликопротеид P)

Множественные функции SULTs



Функции GSTs

- Каталитическая
- Лиганд-связывающая
- Meханизм MЛР (MDR)

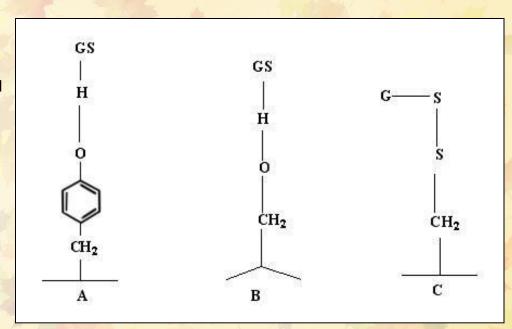
ГSTs – 1. Цитозольные 2. МикросомальныеЭто мультигенное суперсемейство.

Основные классы: µ (М1-М5), α (А1-А4),

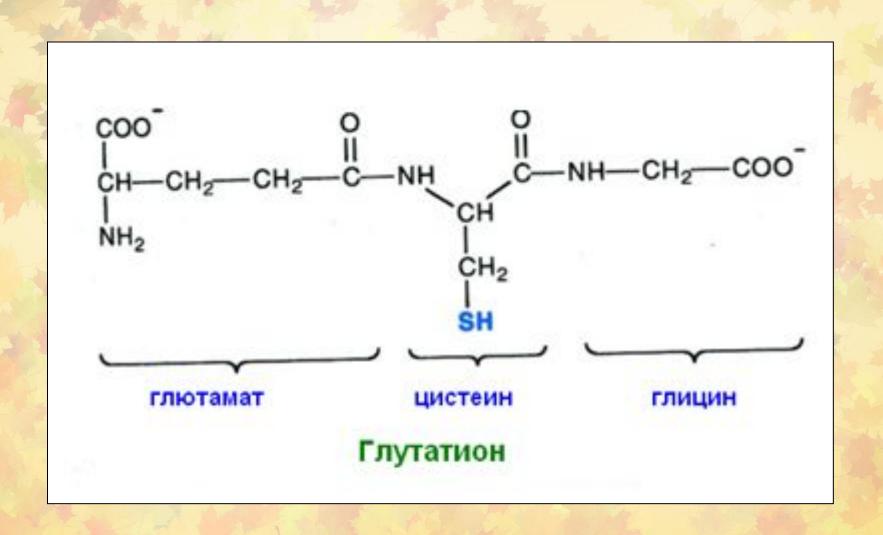
 π , θ , κ , ω

Механизм реакции

- Это димерные белки.
- Активный центр содержит тирозин (A), серин (B) или цистеин (C).
- Они взаимодействуют с тиоловой группой GSH, понижая свою рК до 6-7 (против нормы 9,0).



Структура глютатиона (GSH)

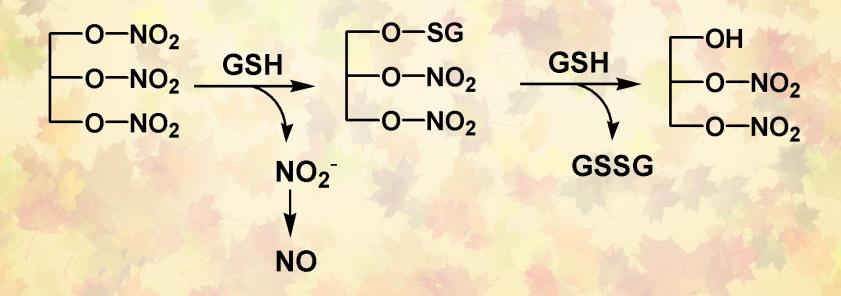


Синтез глютатиона

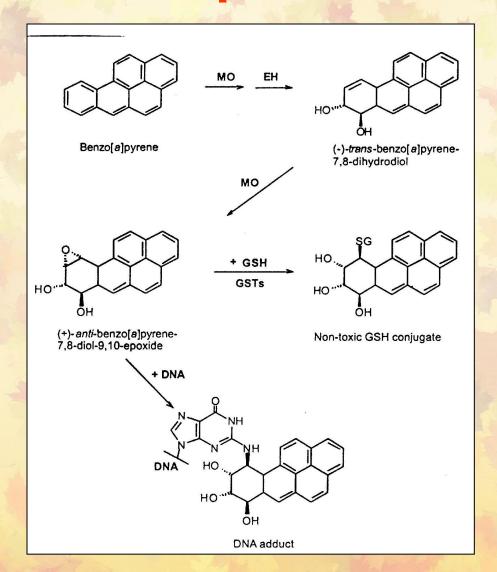
Функции GSH

- 1. Поставщик тиоловых групп
- 2. Защита тиолов белков от окисления в дисульфиды
- 3. Участие в биосинтезе белков и НК
- 4. Защита ДНК от электрофилов (в ионизированной форме тиолата)
- 5. Защита от радикалов кислорода
- 6. Кофактор многих б/х реакций (гл. редуктаза и гл. пероксидаза)

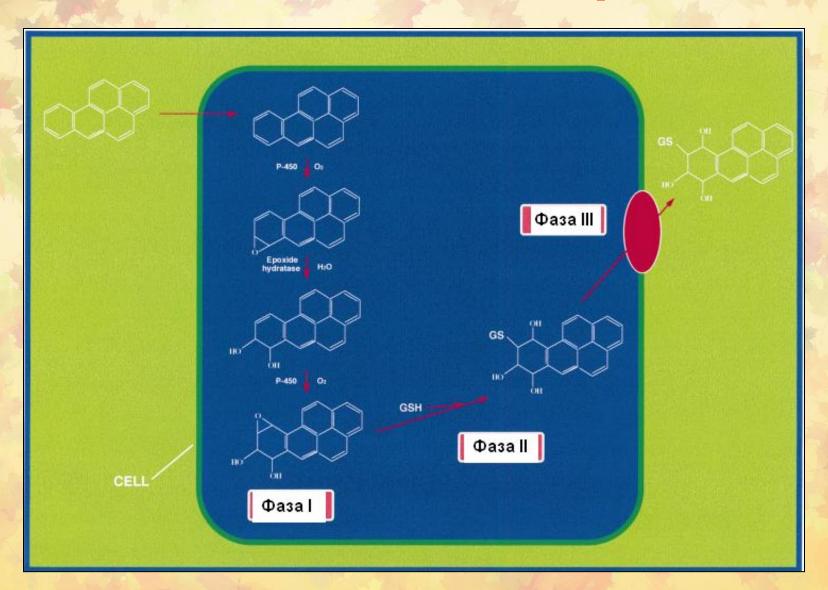
Пример реакции конъюгации электрофильного гетероатома с глутатионом



GST в метаболизме бензо(а) пирена



Роль GST в детоксификации



Реакции, катализируемые глютатион-S-трансферазой

(A)
$$V_{NO_2}^{CI} + GS = \begin{bmatrix} GS_{...,CI} & NO_2 \\ NO_2 & NO_2 \end{bmatrix} \stackrel{\ddagger}{=} V_{NO_2}^{SG} + CI$$

$$O_2N$$
 O_2
 O_2N
 O_2
 O_2N
 O_3
 O_4
 O_5
 O_5
 O_5
 O_7
 O

Классификация GSTs

- Alpha/Mu/Pi classes
- Theta class
- Kappa class
- Zeta class
- Omega class
- Sigma class

Alpha-class GSTs

- Выявлено по крайней мере 6 типов субъединиц: А1,
 А2, А3, А4, А5 и А6 у крыс, А1- А4 у человека
- Реакция стероидной изомеризации:

GSTA4: реакция с этакриновой кислотой, гидроперекисями липидов, 4-гидроксиалкенами GSH пероксидазная активность

Mu-class GSTs

- По крайней мере 6 субъединиц Mu-class (М1, М2, М3, М4, М5 и М6 у крыс), 5 – у человека
- У человека 4 аллельных вариантов GST M1. Частота «0» варианта до 50% популяции

Конъюгация глютатиона с аминохромом, циклированный о-хинон допамина эффективно катализируется GST-M2-2

Реакции, катализируемые GST-P

Изомеризация ретиноевой кислоты:

Реакция конъюгации этакриновой кислоты и глутатиона

GST theta class

- 7% гомологии с Alpha, Mu, Pi classes
- Не взаимодействует с 1-chloro-2,4-dinitrobenzene
- Имеет серин в каталитическом центре
- У человека: (hGST T1-1 и hGST T2-2)

GST kappa class

• В структуре белка нет SNAIL/TRAIL motif

GST omega class

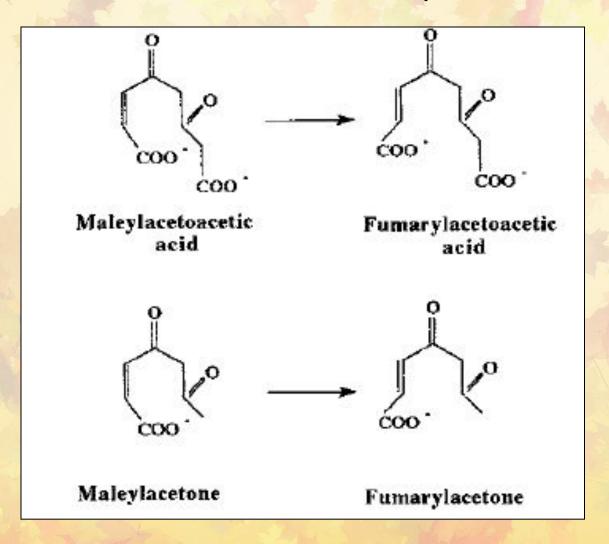
- Высокая активность по отношению к CDNB, 7chloro-4-nitrobenzo-2-oxa-1,3-diazole, p-nitrophenyl acetate.
- Обладает тиол-трансферазной и дегидроаскорбат редуктазной активностями. Возможная `housekeeping' функция Оmega-class GSTs – высвобождение Sтиоловых аддуктов, которые формируются на белках с GSH и цистеином в ответ на оксидативный стресс
- Распространена во многих тканях человека

Функции GST sigma

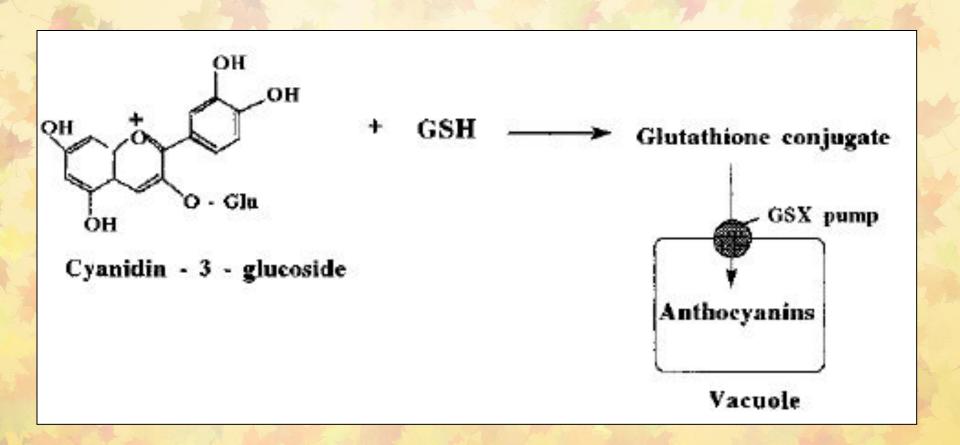
• Простагландин-синтаза:

Реакции, катализируемые GST zeta

Малеилацетоацетат изомераза:

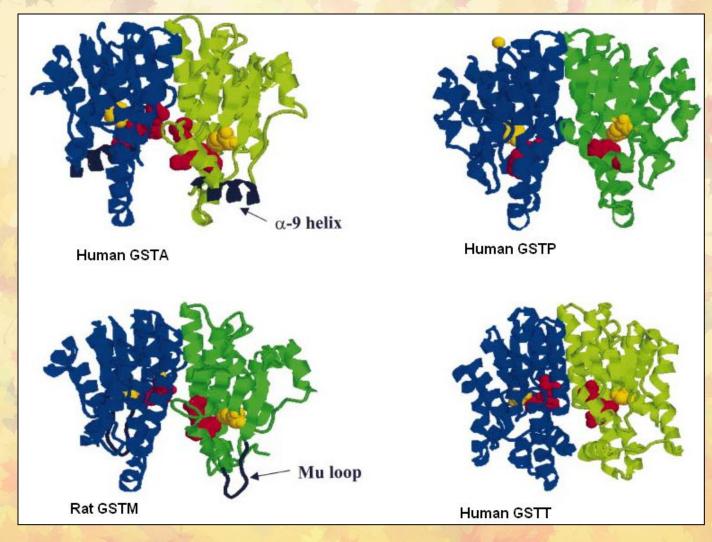


Синтез цианидинов у растений (GSTP и GSTT)

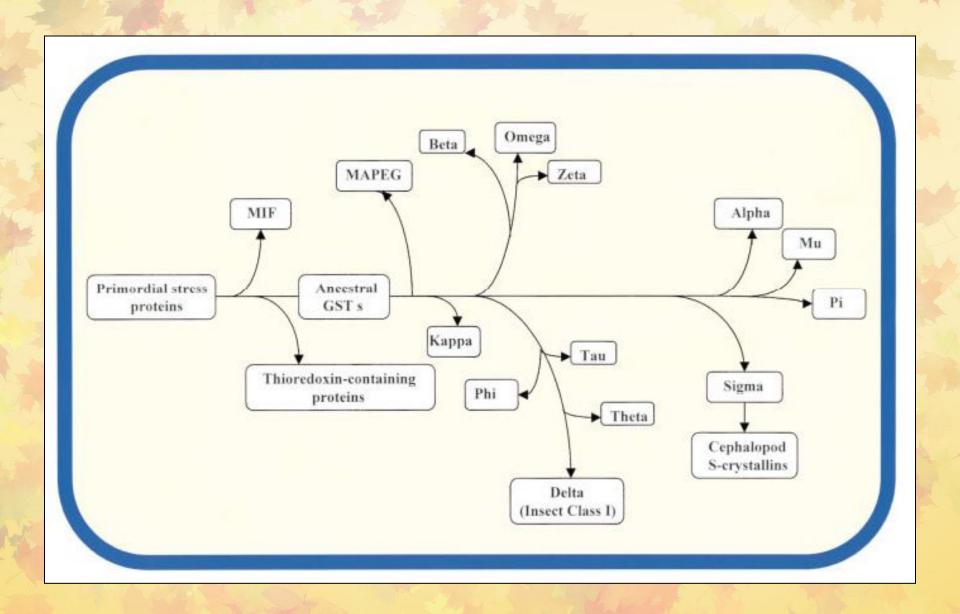


Структуры GSTs

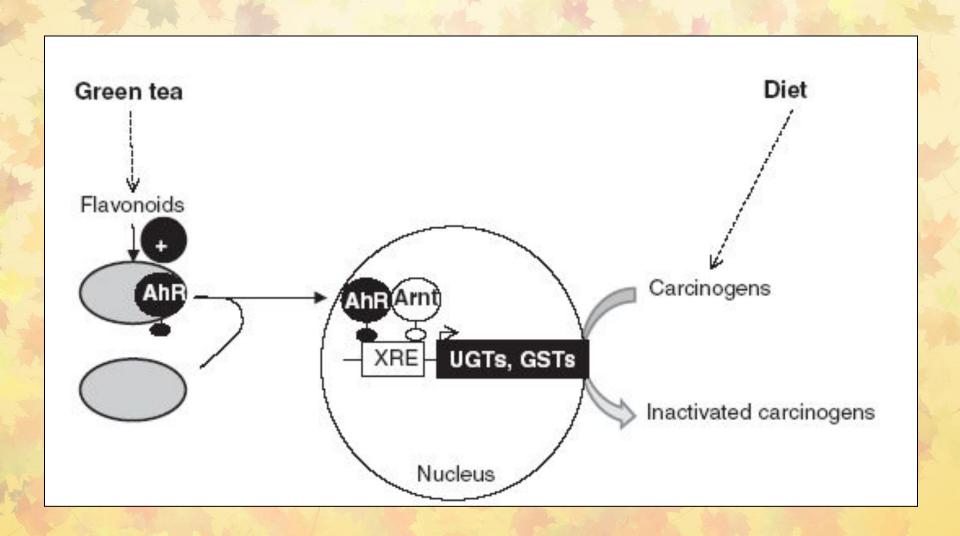
желтый – остатки тирозина или серина красный - субстрат



Филогения GSTs



Анти-канцерогенный эффект зеленого чая через AhR-GST/UGT путь



4. Реакции ацетилирования

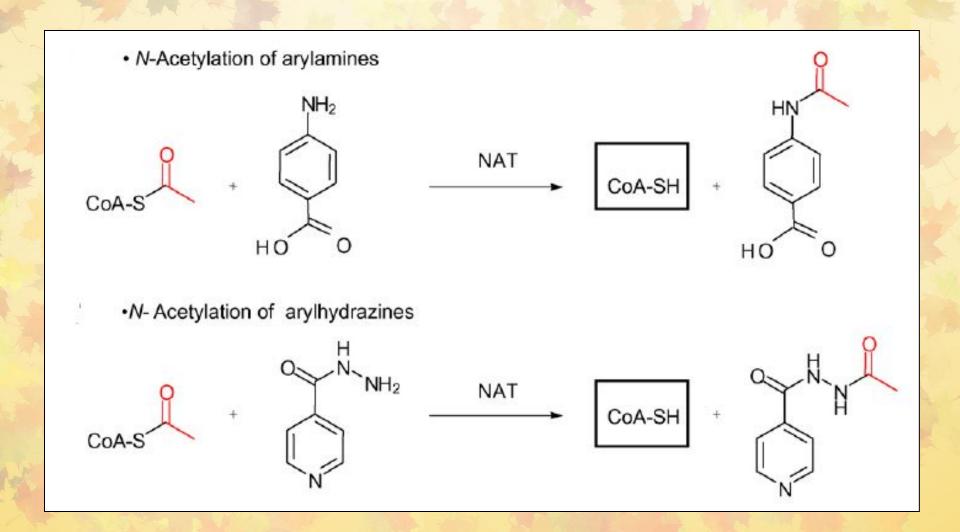
Ацетилирование соединений, содержащих амино-, гидроксил-сульфгидрильные группы.

N-Ацетилирование — основной путь биотрансформации Ар. Аминов, лекарств, содержащих гидразогруппу (R-NH-NH2), которые превращаются в ароматические амиды (R-NH-COCH3) или гидразины (R-NH-NH-COCH3)

E-SH + KoA-COCH3 → E-S-COCH3 + KoA-SH

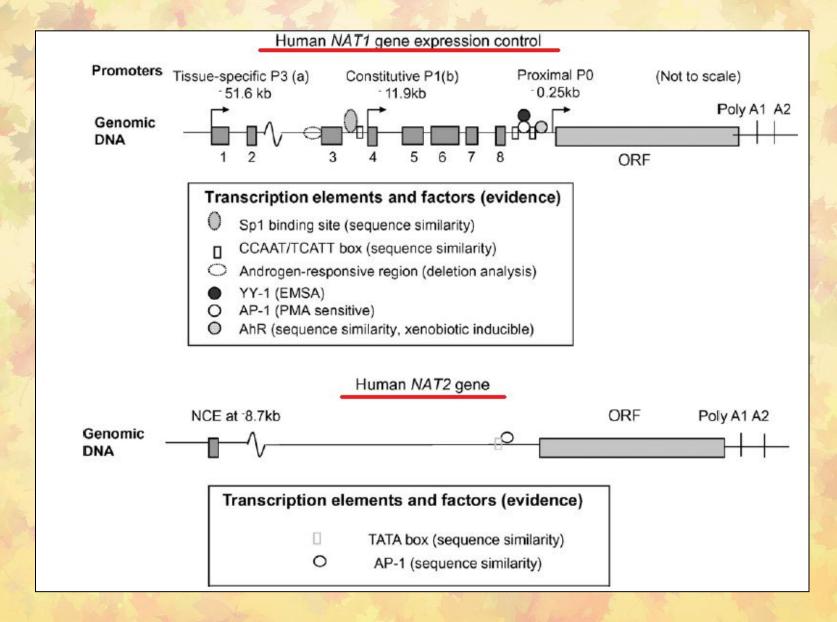
Кофактор ацетилирования

Реакции, катализируемые NAT

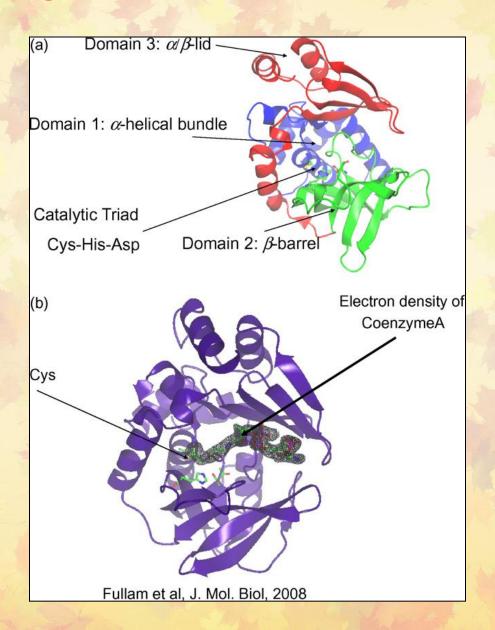


Реакции, катализируемые NAT

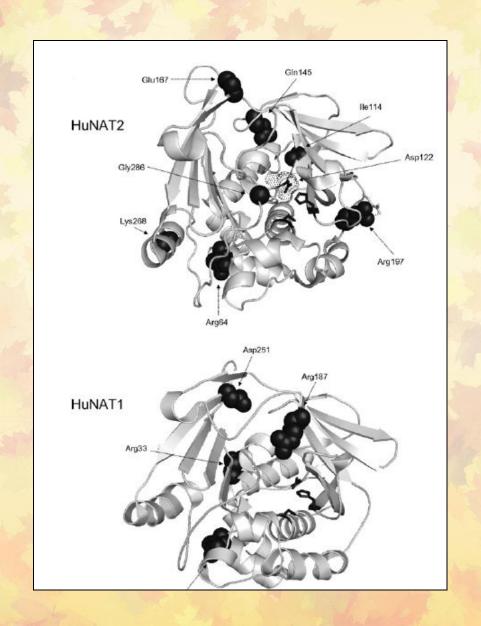
Структура генов NAT



Структура NAT микобактерий

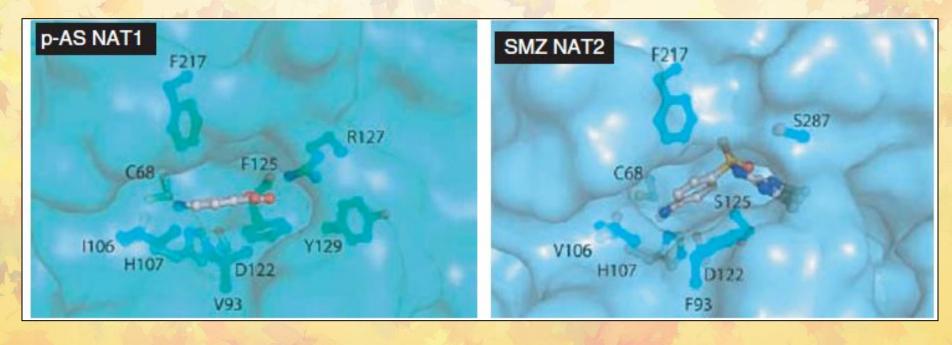


Структура NAТ человека

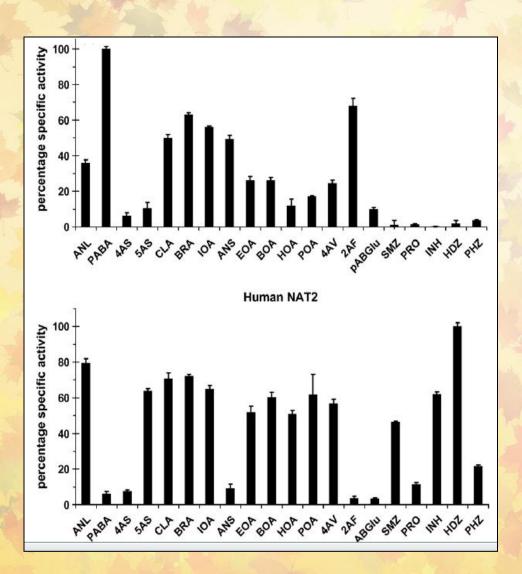


Взаимодействие NAT с субстратами

human NAT1 with (p-aminosalicylate) pAS in the active site cleft and human NAT2 with sulphamethazine (SMZ) in the active site cleft. The single letter code is used for amino acids. (After Wu et al., 2007)

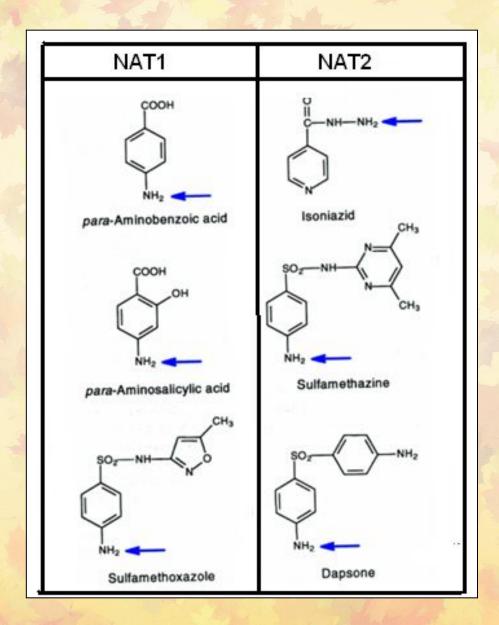


Субстратная специфичность NAT1 и NAT2



```
aniline (ANL),
4-aminobenzoic acid (PABA),
4-aminosalicylic acid (4AS),
5-aminosalicylic acid (5AS),
4-chloroaniline (CLA),
4-bromoaniline (BRA),
4-iodoaniline (IOA),
4-methoxyanline (ANS),
4-ethoxyaniline (EOA),
4-butoxyanline (BOA),
4-hexyloxyaniline (HOA),
4-phenoxyaniline (POA),
4-aminoveratrole (4AV),
2-aminofluorene (2AF),
4-aminobenzoyl-l-glutamate (pABGlu),
sulphamethazine (SMZ),
procainamide (PRO),
4-aminopyridine (APY),
Isoniazid (INH),
hydralazine (HDZ),
phenylhydrazine (PHZ)
```

Субстраты для NATs



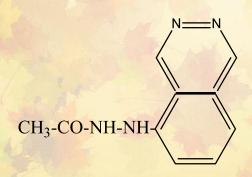
Ацетилирование лекарств



Изониазид

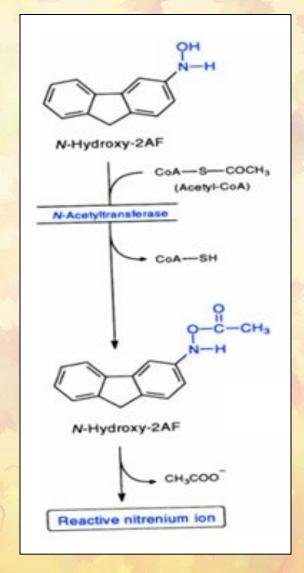


Сульфаметазин



Гидралазин

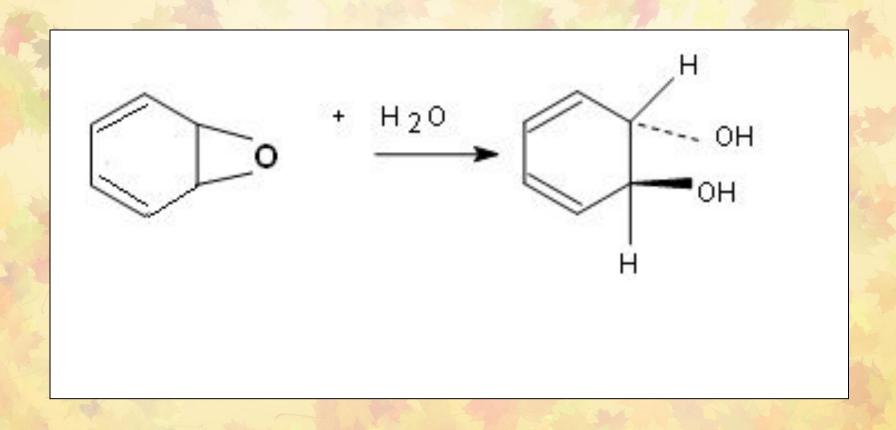
Активация канцерогенов ацетилированием



Генетический полиморфизм NAT1 и NAT2

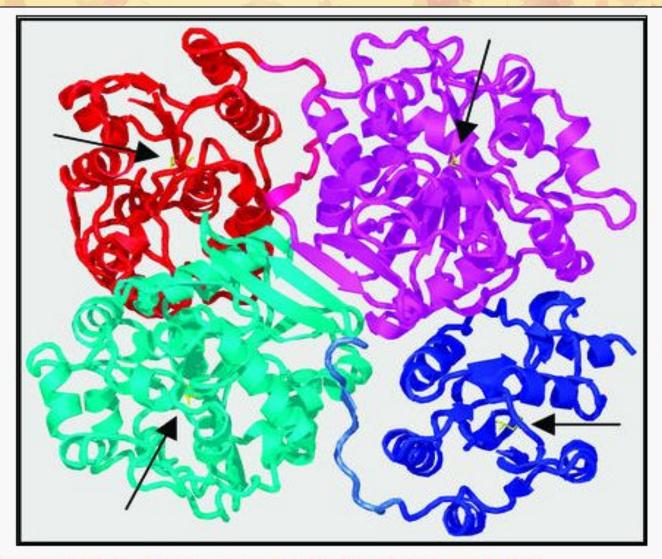
	Mutation	AA change
NAT2	G191A	Arg64Gln
	T341C	lle114Thr
	G364A	Asp122Asn
	A434C	Gln145Pro
	G590A	Arg197Gln
	G857A	Gly286Gln
NAT1	C97T	Arg33Stop
	C190T	Arg64Trp
	C559T	Agr187Stop
	G560A	Arg187Gln
	A752T	Asp251Val

5. Эпоксидгидролазы



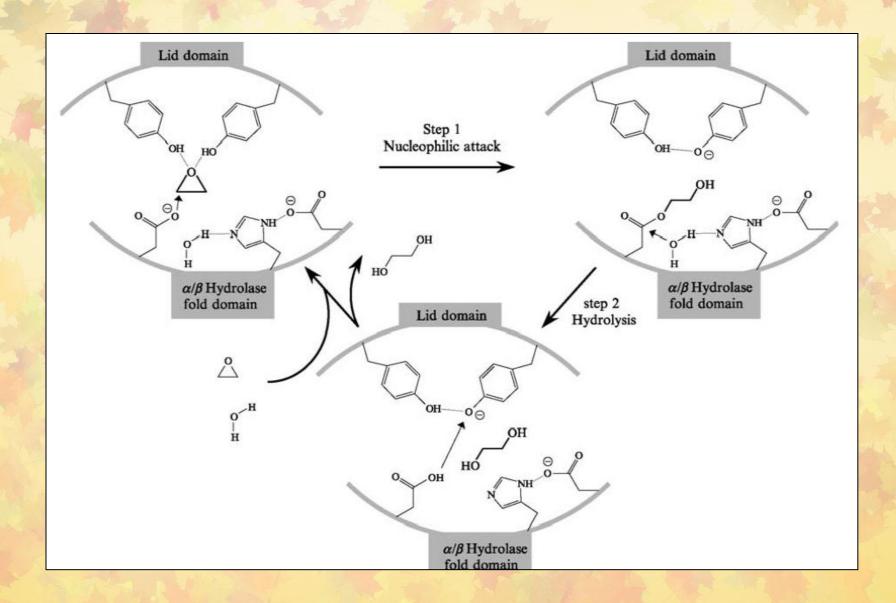
Формы эпоксидгидролаз (ЕН)

- 1. Холестериновая
- 2. Лейкотриеновая
- 3. Гипоксилиновая
- 4. Микросомальная (Метаболизм КСБ)
- 5. Растворимая (Метаболизм КСБ)

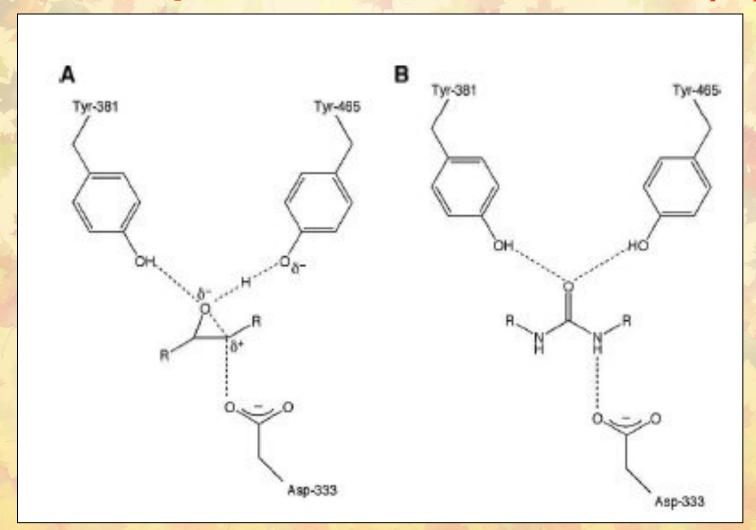


3D структура sEH млекопитающих. Во всех 4-х субъединицах имеются каталитически активные центры.

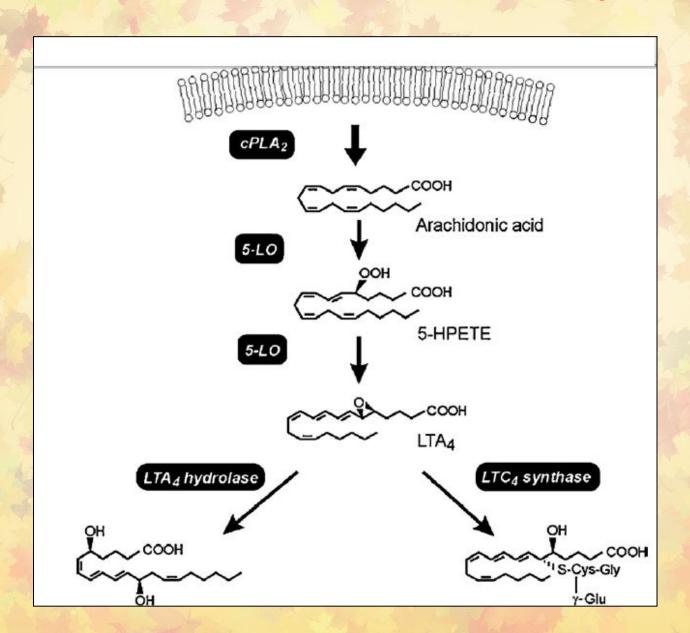
Механизм действия ЭГ



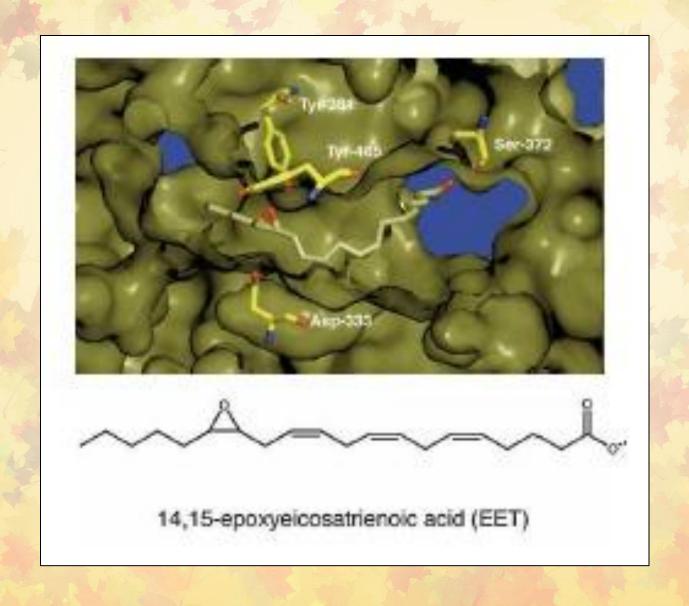
Активный центр sEH (A) и действие ингибитора диалкилмочевины (B)



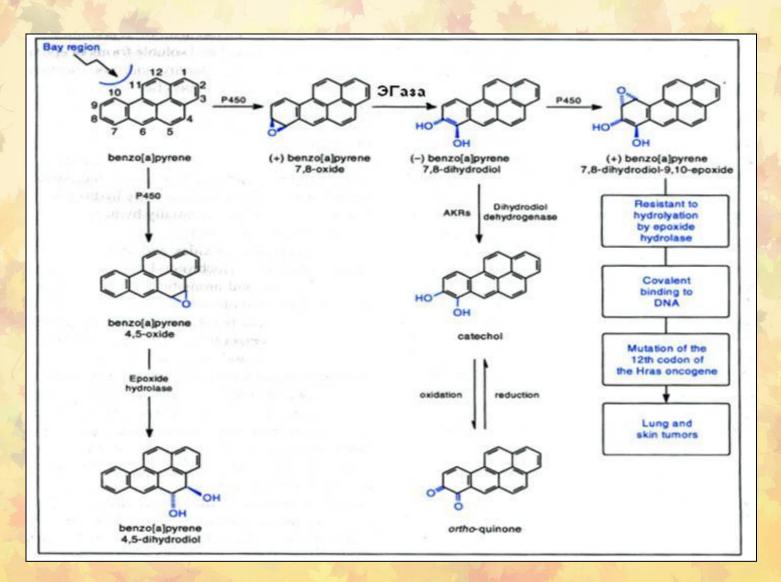
ЭГ в синтезе лейкотриенов (В4 и С4)



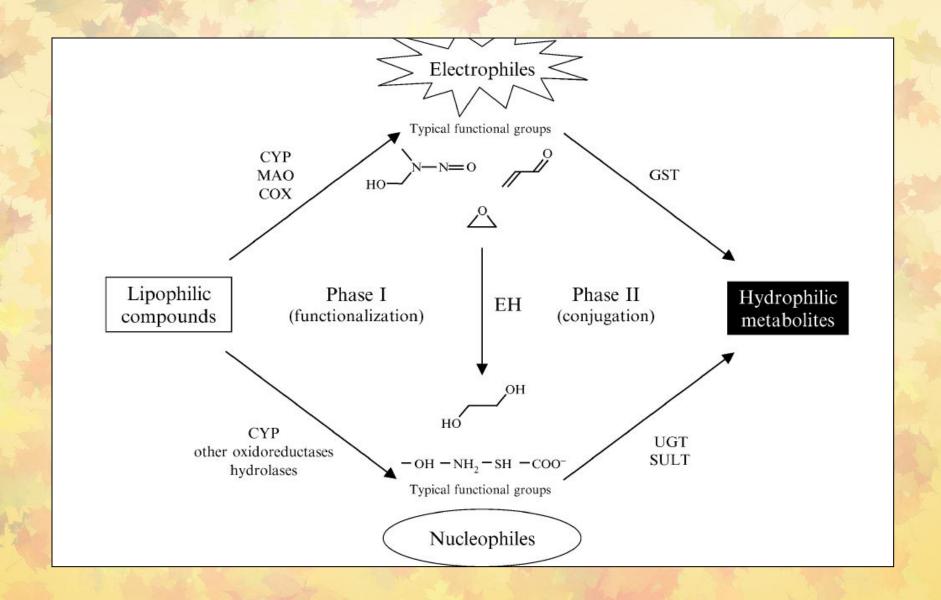
Модель взаимодействия с ЕЕТ



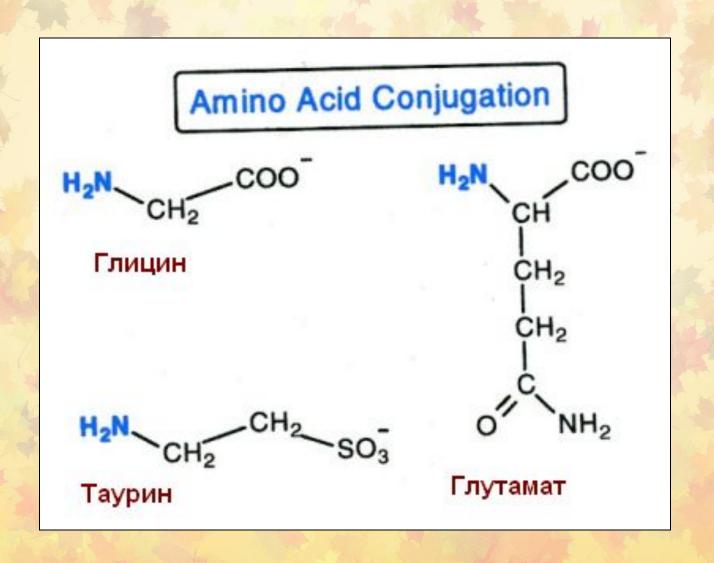
Роль эпоксидгидролазы в метаболизме БП



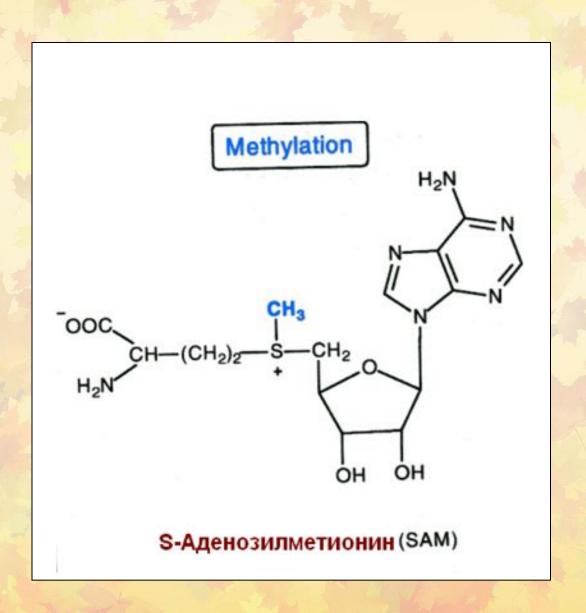
Роль ЭГ в детоксификации



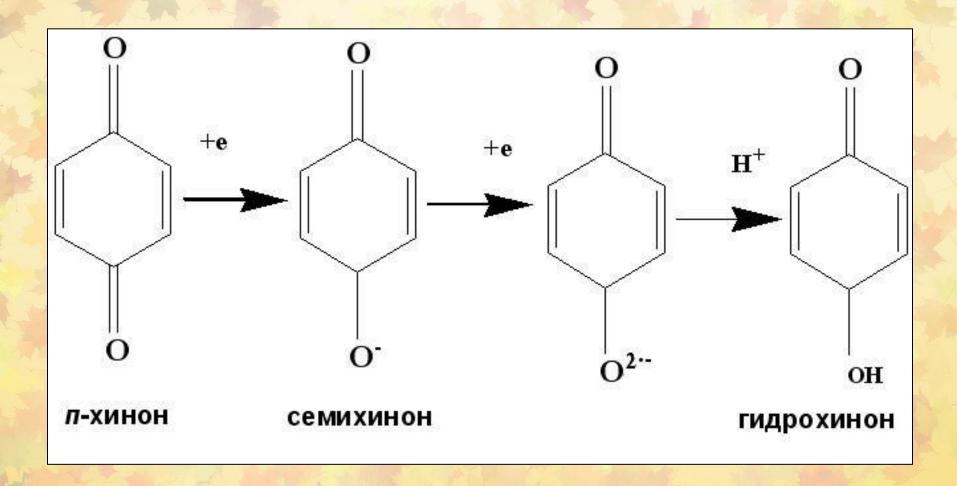
6. Реакции конъюгации с аминокислотами



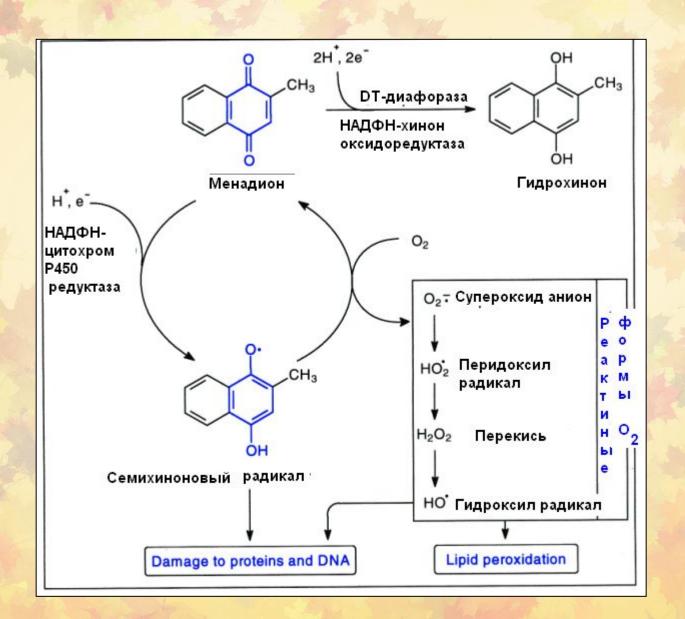
7. Метилирование



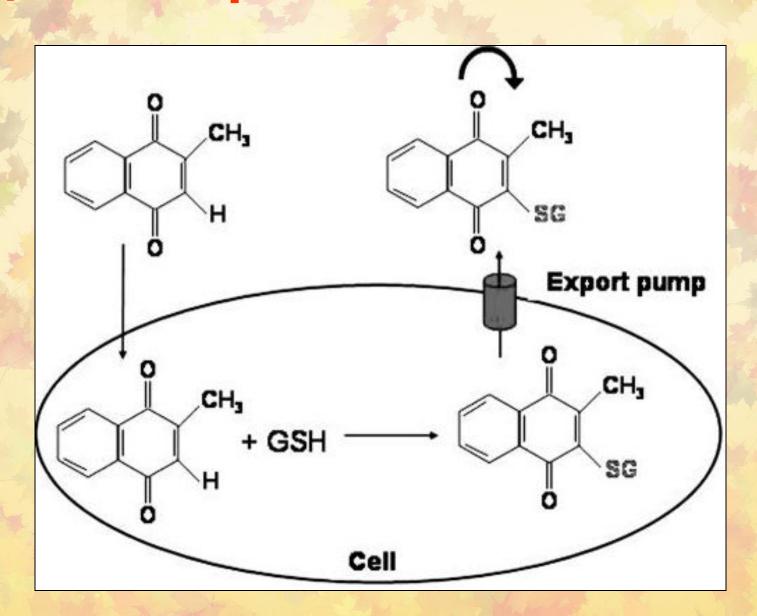
8. Диафораза



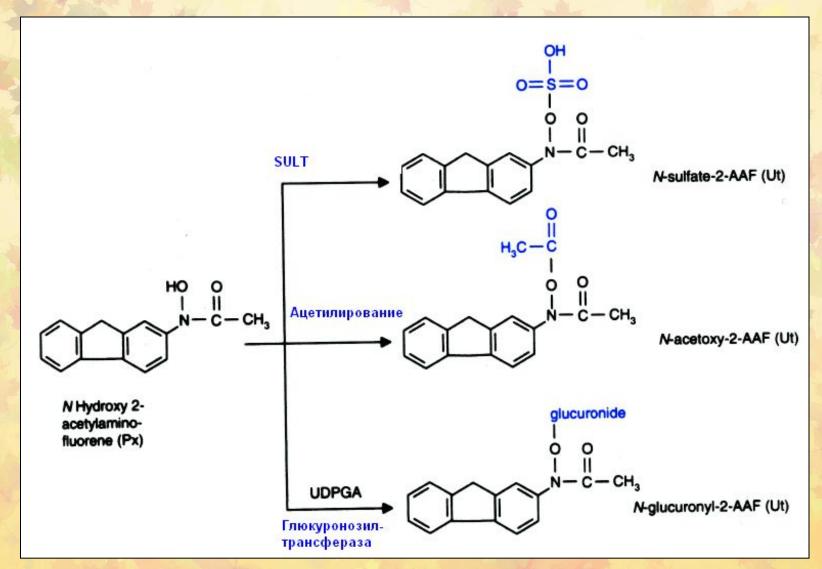
Восстановление менадиона DT



Детоксификация менадиона



Реакции токсификации, катализируемые ферментами 2-й фазы



Полиморфные ферменты, метаболизирующие анти-раковые лекарства

_, Ферменты	Субстраты	
Dihydropyrimidine dehydrogenase (DPD)	5-Fluorouracil	
Cytochrome P450 (CYP)		
1A1, 1A2	Dacarbazine	
2A6	Cyclophosphamide, ifosfamide, tegafur	
2B6	Cyclophosphamide, ifosfamide	
2C8	Cyclophosphamide, ifosfamide, paclitaxel	
2C9	Cyclophosphamide, ifosfamide	
2C19	Teniposide	
2E1	Dacarbazine	
3A4	Teniposide, etoposide, cyclophosphamide, ifosfamide, vindesine, vinblastine, vincristine, vinorelbine, paclitaxel, docetaxel, irinotecan	
NAD(P)H:quinone oxidoreductase 1 (NQO1)	Mitomycin C	
N-acetyltransferase 2 (NAT2)	Amonafide	
Thiopurine methyltransferase (TPMT)	6-Mercaptopurine, 6-thioguanine	
Glutathion S-transferase (GST)	Busulfan	
Uridine diphosphate glucuronosyltransferase (UGT)	Irinotecan, epirubicin, topotecan	

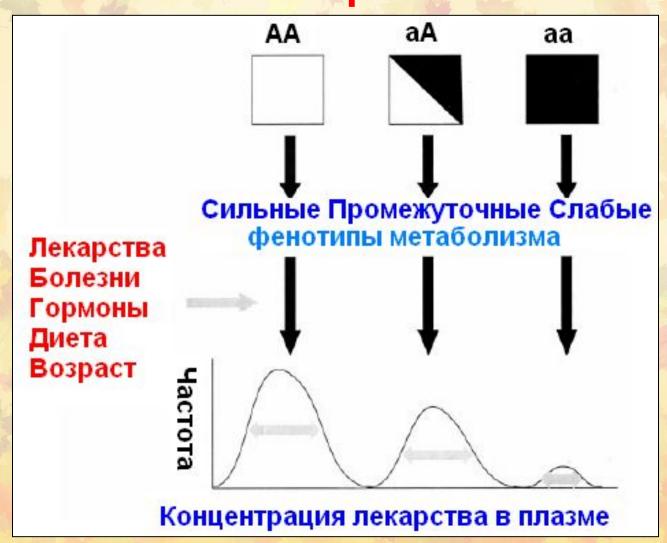
Полиморфизм ферментов II фазы и рак

Disease	Molecular biomarker	OD (95% CI)	Comments
Colorectal cancer	SULT1A1*1	4.4 (1.6–11.8)	Smoking-associated disease
	SULT1A1*1	0.47 (0.27–0.83)	
	NAT2 GSTM1	1.19 1.78 (1.39–2.17)	Fast metabolizers
Breast cancer	SULT1A1*2 (both homo- and heterozygous)	2.11 (1.00–4.46)	Premenopausal women smoking >5 cigarettes daily ^b
	SULT1A1*2 (both homo- and heterozygous)	2.83 (1.23–6.54)	Premenopausal women smoking >20 years ^b
	SULT1A1*2	HR ^a 2.9 (1.1–7.6)	Death among tamoxifen-treated women
	UGT1A1*28	1.8 (1.0–3.1)	Invasive disease in premenopausal African-American women
	UGT1A1*37	1.8 (1.0–3.1)	Invasive disease in premenopausal

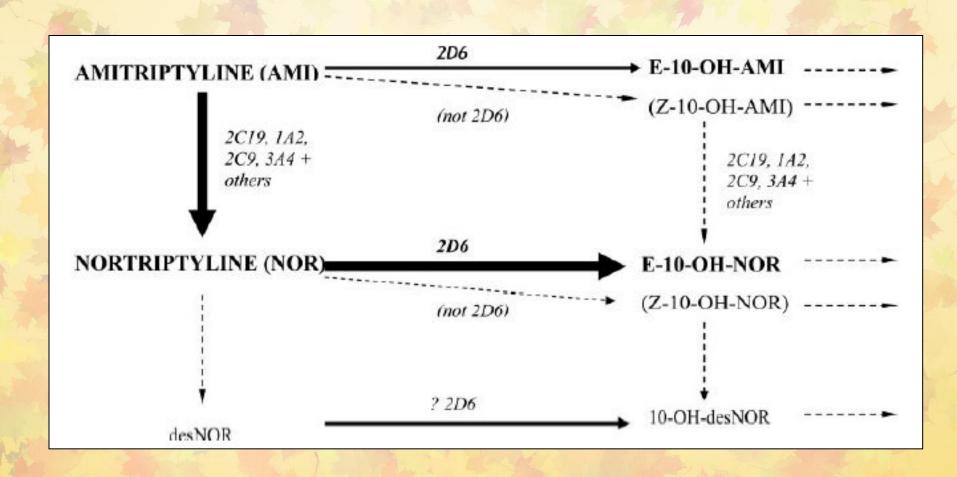
Полиморфизм ферментов II фазы и рак

Lung cancer	SULT1A1*2 (both homo- and heterozygous)	1.41 (1.04–1.91)	Women and current and heavy smokers
	NAT2	2.0 (1.1–3.7)	Slow-metabolizing Chinese women
	GSTM1	1.21 (1.06-1.39)	Caucasians
	GSTM1	1.45 (1.23-1.70)	Asians
Bladder cancer	NAT2	1.41 (1.23–1.80)	Slow-metabolizing Caucasians
	GSTM1	1.54 (1.32-1.80)	Caucasians
	GSTM1	1.77 (1.09-2.91)	Asians
Familial prostate cancer	GSTP1	9.31 (0.47–1.84)	
Ovarian cancer	UGT1A1*28	7.20 (2.06–25.19)	Mucinous tumors ^b

Генетические и эпигенетические факторы в активности ферментов метаболизма лекарств



Метаболизм амитриптилина (антидепрессанта)



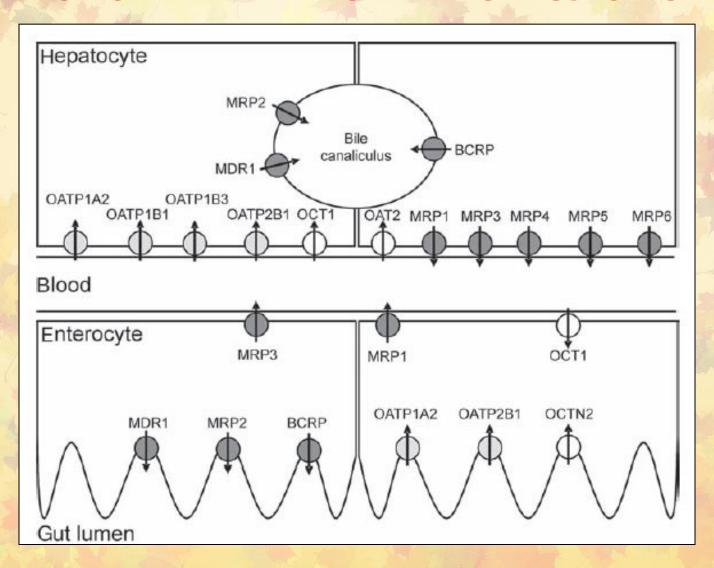
Фаза III. Транспортеры

- (1) ATP binding cassette (ABC) семейство (около 300 белков)
- ABCB1 (P-Glycoprotein, MDR1 или P-gp или MDR1)
- ABCC1 (Multidrug Resistance Related Protein1, MRP1)
- ABCC2 (Multidrug Resistance Related Protein2, MRP2)
- ABCG2 (Breast Cancer Resistance Protein, BCRP)
- (2) solute carrier (SLC) семейство (drug uptake транспортеры)
- Organic Anion Transporter Polypeptides OATP
- Organic Anion Transporter OAT
- Organic Cation Transporter OCT
- Peptide Transporter PEPTs

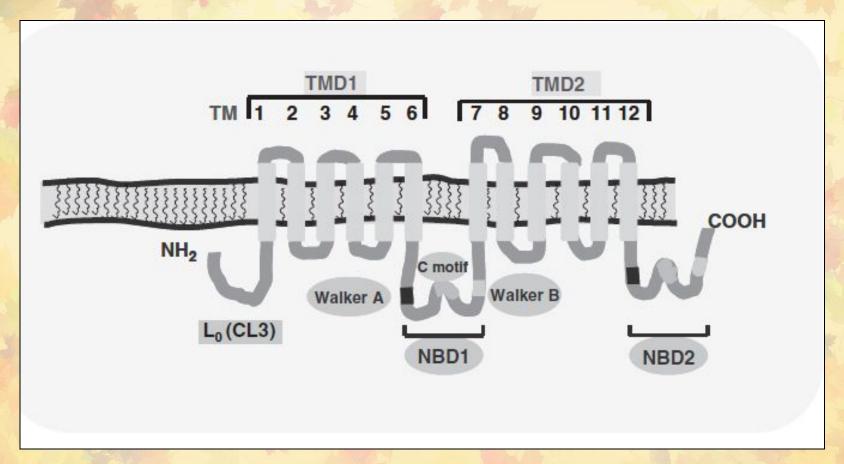
Классификация АВС семейства

Subfamily	Alternative name	Number of proteins	Proteins that confer drug resistance		
		name	number		
ABCA	ABC1	12	ABCA2	1	
ABCB	MDR	11	ABCB1 (P-gp) ABCB4 (MDR2) ABCB11 (BSEP, SPGP)	3	
ABCC	MRP	13	ABCC1 (MRP1) ABCC2-6 (MRP2-6) ABCC10 (MRP7) ABCC11 (MRP8)	8	
ABCD	ALD	4			
ABCE	OABP	1			
ABCF	GCH20	3			
ABCG	White	5	ABCG2 (BCRP)	1	

Покализация белков-траспортеров в печени и кишечнике человека

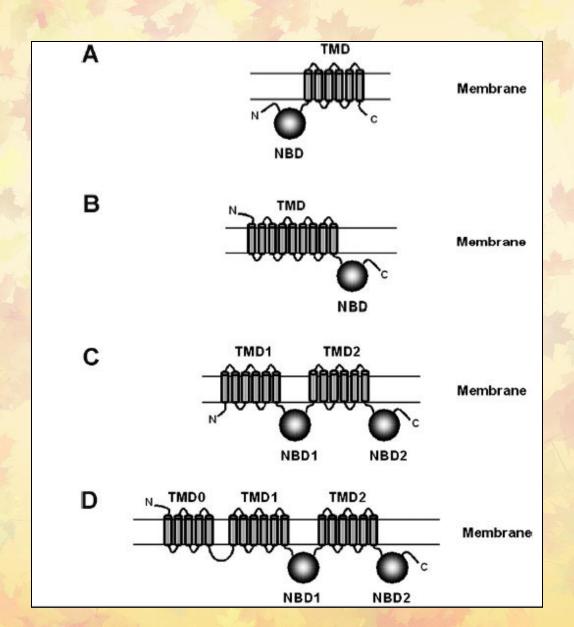


Топология гликопротеина Р



nucleotidebinding domain (NBD) transmembrane domains (TMDs)

Различные типы MDRs



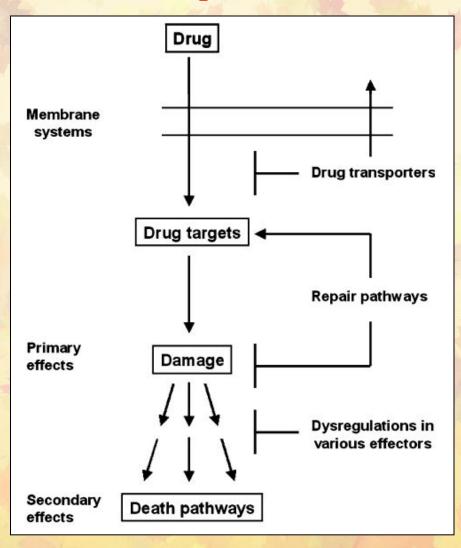
Антираковые лекарства и их транспортеры

Class	Drug	Proteins	
Anthracyclines	doxorubicin, daunorubicin, epirubicin, idarubicin	ABCB1, ABCC1, ABCC2*, ABCG2	
Epipodophyllo- toxins	etoposide, teniposide	ABCB1, ABCC1*, ABCC2*, ABCG2	
Vinca alkaloids	vincristine, vinblastine, vinorelbine	ABCB1, ABCC1, ABCC2	
Taxanes	paclitaxel, docetaxel	ABCB1, ABCC2	
Kinase inhibitors	imatinib, flavopyridol	ABCB1, ABCC2, ABCG2	
Other preparations	mitoxantrone, tamoxifen, mitomycin, actinomycin D, methotrexate	ABCB1, ABCC1*, ABCC2*, ABCG2*	

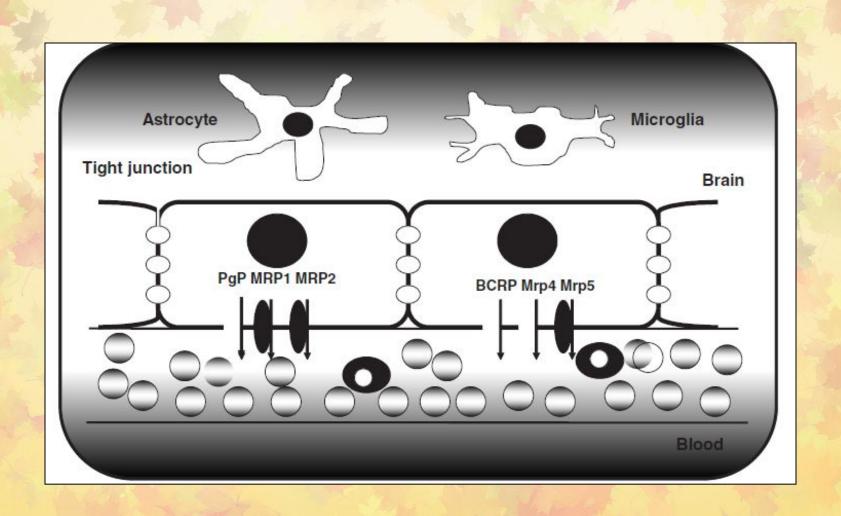
мРНК транспортеров в раковых клетках

Calle	T	D	ID*	mRNA		
Cells	Tumor	Drug resistance	IR*	MDR1	MRP1	BCRP
KB3-1 KB8-5	carcinoma of oral cavity	- +	1 6	_ +++	+++	+++
K562 K562/i-S9	chronic myelogenous leukemia	-	1 26	_ +++	+++	+
mS mS-0.5	skin tumor (melanoma)	-+	1 130	+++	++	-
LIM1215 LIM1215/Act	intestinal cancer	+	1 20	+++	++	-
COR-23L/P COR-23L/R	lung cancer	-+	1 23		+++)—

«Сложная» судьба лекарства в раковой клетке



Транспортеры гематоэнцефалического барьера



Субстраты, индукторы, ингибиторы MDR1

Substrates	Inducers	
Anticancer agents	Amiodarone	Amiodarone
Actinomycin D	Amprenavir	Astemizole
Daunorubicin	Bromocriptine	Atorvastatin
Docetaxel	Chlorambucil	Bepridil
Doxorubicin	Cisplatin	Biricodar
Docetaxel	Clotrimazole	Bromocriptine
Etoposide	Colchicine	Carvedilol
Imatinib	Cyclosporine	Chlorpromazine
Irinotecan	Daunorubicin	Clarithriomycin
Mitomycin C	Dexamethasone	Cortisol
Mitoxantrone	Diltiazem	Cyclosporine
Paclitaxel	Doxorubicin	Diltiazem
Teniposide	Erythromycin	Dipyidamole
Topotecan	Etoposide Disulfiram	
Vincristine	Flurouracil	Elacridar (GF120918)
Vinblastine	Hydroxyurea	Erythromycin
	Insulin	Felodipine
Antihypertensive agents	Indinavir	Fluoxetine
Celiprolol	Methotrexate	Itraconazole
Diltiazem	Midazolam	Ketoconazole
Losartan	Mitoxantrone	LY335979
Talinolol	Morphine	Midazolam
	Nelfinavir	Nicardipine

Индукция транспортеров

Transporter	Species	Inducer ^a	Organ/ Tissue/Cell ^b	Effect	NR^c
Mdr1a	Rat	DAS	Liver	mRNA	CAR
Mdr1b		TSO	Liver	mRNA	CAR
Mdr1a, 1b		SJW	Intestine	Protein	PXR
		DEX	Liver	Protein	PXR
			bbb	Protein	
		PCN	Liver	Protein	PXR
			bbb	Protein	
Mdr1a	Mouse	PCN	Liver	mRNA	PXR
			Intestine	mRNA	PXR
		RU486	Liver	mRNA	PXR
		TCPOBOP	Intestine	mRNA	CAR
Mdr1b		PCN	Liver, intestine	mRNA	PXR
Mdr1a, 1b		Rifampin SJW	Intestine	Protein	PXR
Mdr1	Pig	Rifampin	LLC-PK1 (k)	mRNA, protein	PXR
MDR1	Human	Rifampin	Fa2N-4 (1) Hepatocytes	mRNA mRNA,	PXR