

Пептидные гормоны растений:

- Системины
- CLE-пептиды
- Фитосульфокины
- SCRP/SP11
- RALF
- EPF
- ENOD40
- POLARIS (PLS)
- IDA
- ROT4/DVL1
- CLEL/GLV

- Системная устойчивость
- Развитие меристем
- Деление клеток
- Самонесовместимость
- Системная устойчивость
- Развитие устьиц
- Симбиоз с ризобиями
- Развитие сосудов
- Опадение цветков и листьев
- Развитие листовой пластинки
- Развитие корня

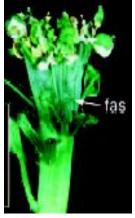
Мутанты по генам CLV1, CLV2, CLV3 (CLAVATA)

Clavatus –лат. «булавовидный»





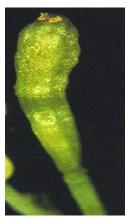
многолистная розетка



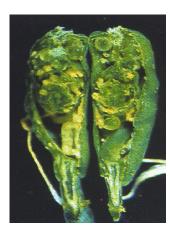
фасциация стебля



увеличение числа органов цветка



увеличение числа плодолистиков



Плод «матрешка»

Регуляция активности меристемы побега системой

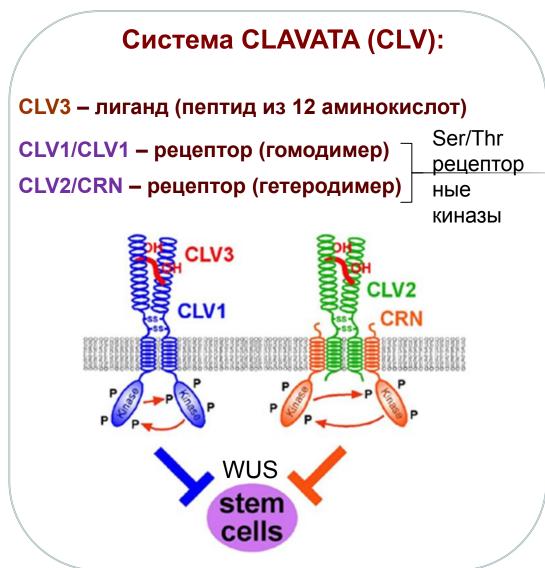


Компоненты сигнального каскада:

- .POL/PLL (POLTERGEIST) протеинфосфатаза PP2C (позитивный регулятор WUS)
- .МАР-киназы
- .Малая ГТФаза ROP (Rho in Plant) (негативные регуляторы WUS)

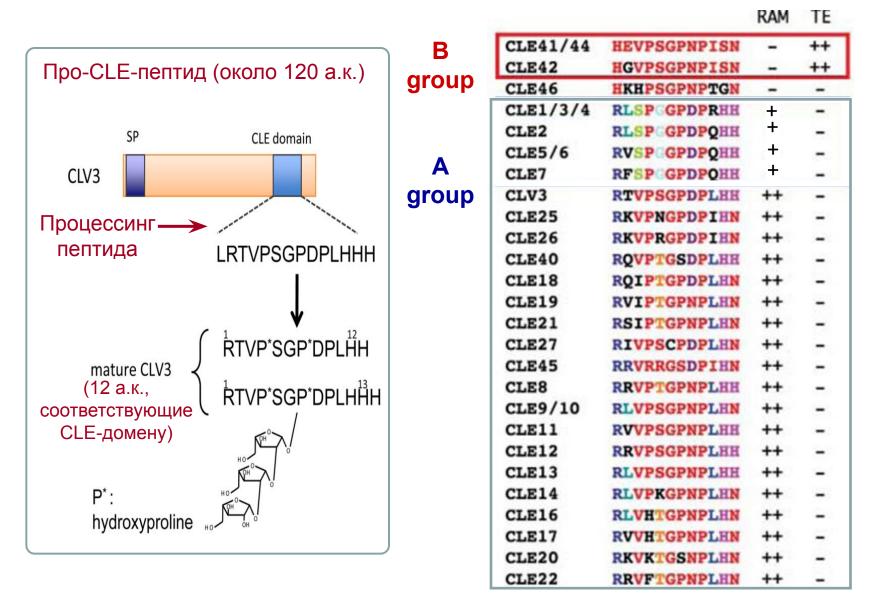
В какой последовательности и как действуют - неизвестно!

WUS-CLAVATA

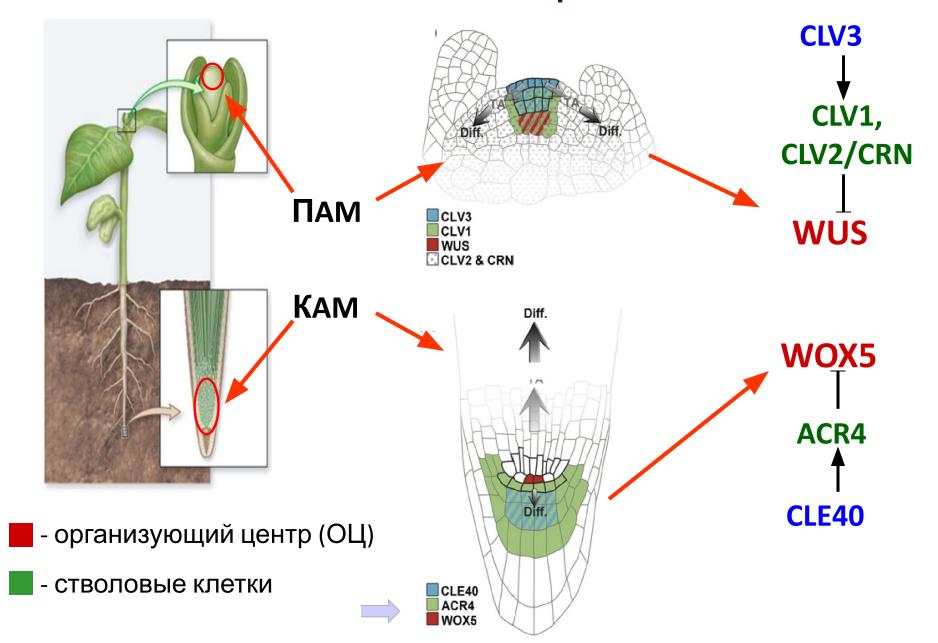


CLV3 – представитель семейства CLE-пептидов

(CLE = CLAVATA 3/ ENDOSPERM SURROUNDING REGION)

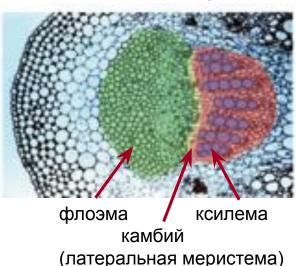


Системы WOX-CLAVATA в регуляции развития апикальных меристем

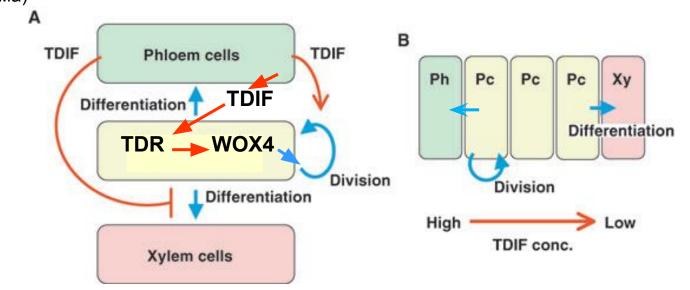


CLE-пептиды группы В – позитивные регуляторы развития латеральных меристем

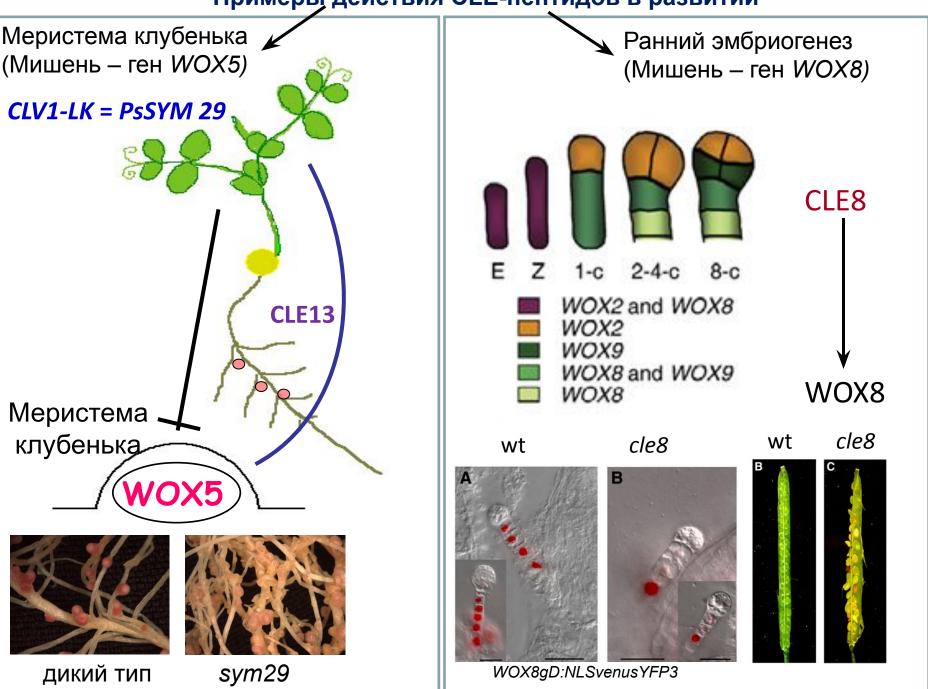
Проводящий пучок



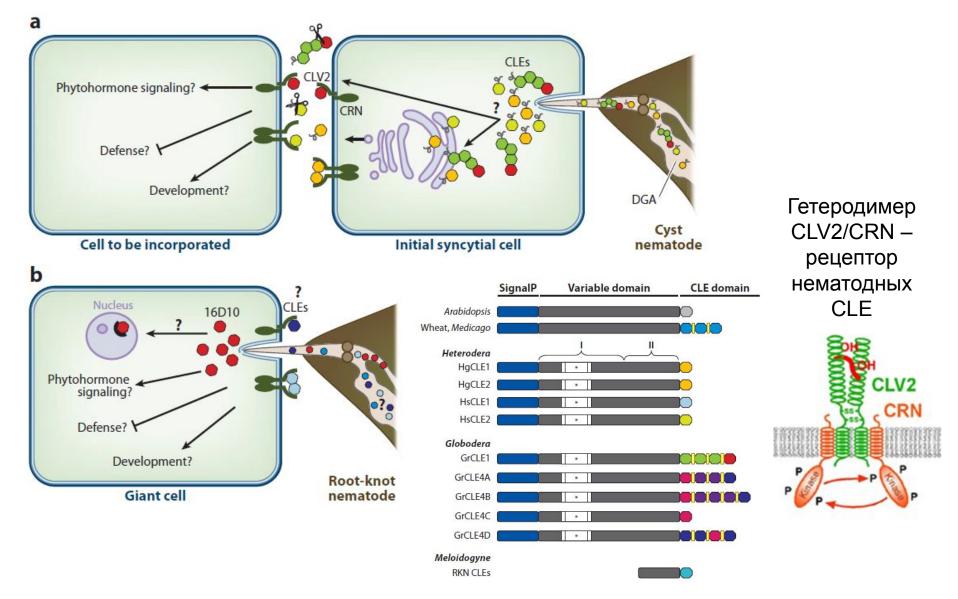
CLE-B (CLE41/44/42) = TDIF (Tracheray element Differentiation Inhibitory Factor)



Примеры действия CLE-пептидов в развитии



Паразитические нематоды секретируют CLE-пептиды, модифицирующие программу развития растения-хозяина (пример «молекулярной мимикрии»)



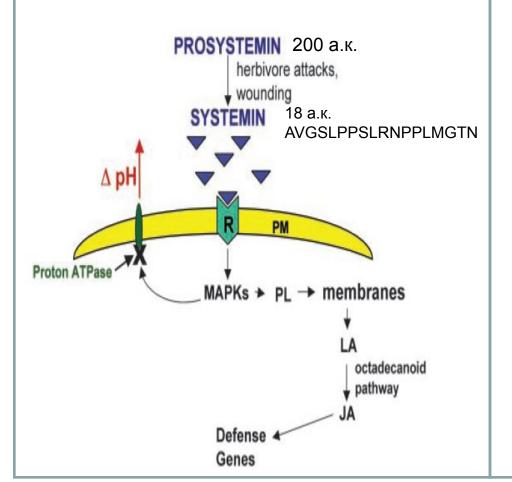
Пептидные фитогормоны

Системин:

•Функция: системная устойчивость

•Рецептор: неизвестен

•Мишени: гены защиты (PR, etc.)

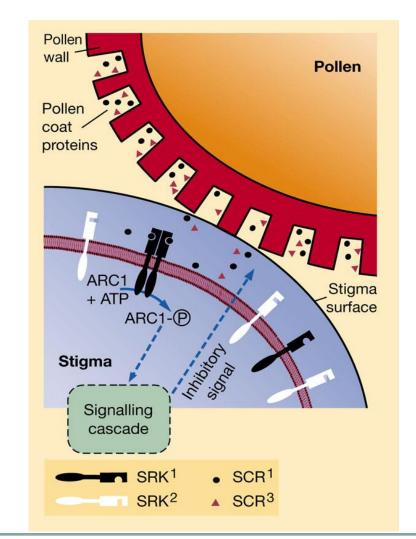


SCRP (S-locus Cysteine Rich Proteins):

•Функция: подавление самоопыления

Рецептор: Ser/Thr киназы SRK

•Мишени: неизвестны



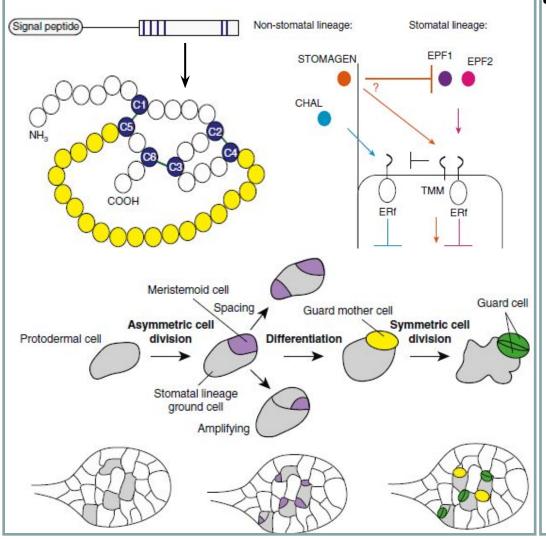
Пептидные фитогормоны

EPF (Epidermal Patterning Factors):

•Функция: образование устьиц

•Рецептор: Ser/Thr киназы ER/ TMM

•Мишени: неизвестны

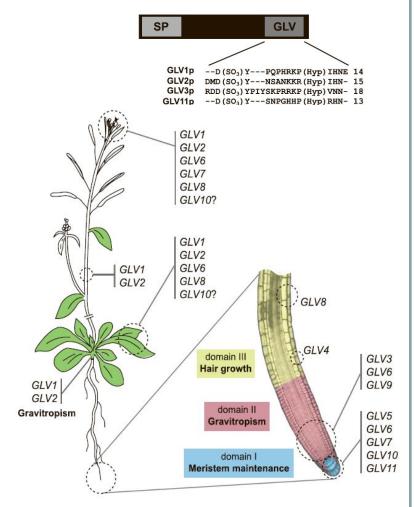


RGF/ GLV/ CLEL (Root Growth Factors / Golven/ CLE-Like):

•Функция: развитие корня

•Рецептор: неизвестен

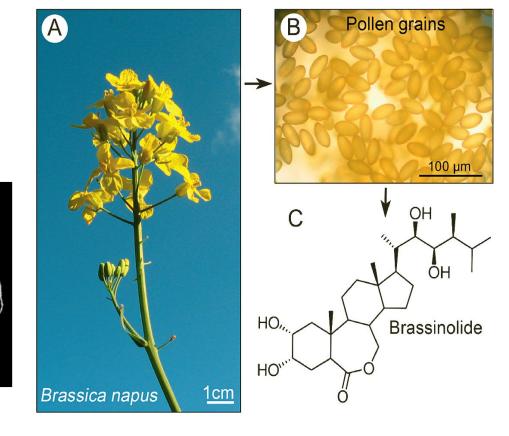
•Мишени: неизвестны



Pollen Control extract

Брассиностероиды

- Стероидные гормоны растений
- Впервые выделены из пыльцы рапса
- Стимулируют ростовые процессы в очень низких концентрациях (10⁻⁶ 10⁻¹² M)
- У брассиностероидов отсутствует система дальнего транспорта



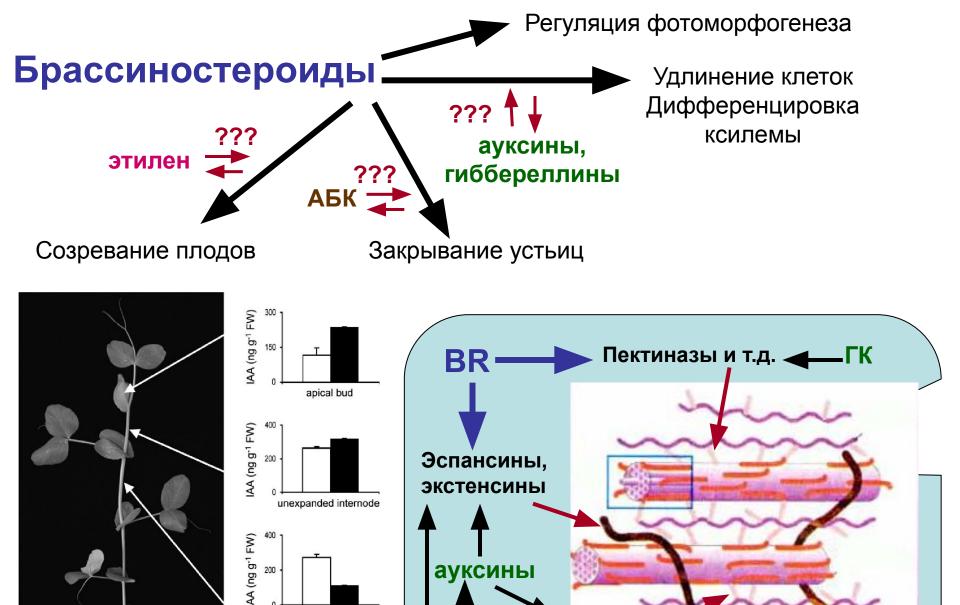


Фенотипы мутантов:

карликовость, де-этиолирование

Wild Type

det



ауксины

Н+

H+

200

mature internode

□ WT ■ lkb



Опыты по прививкам:

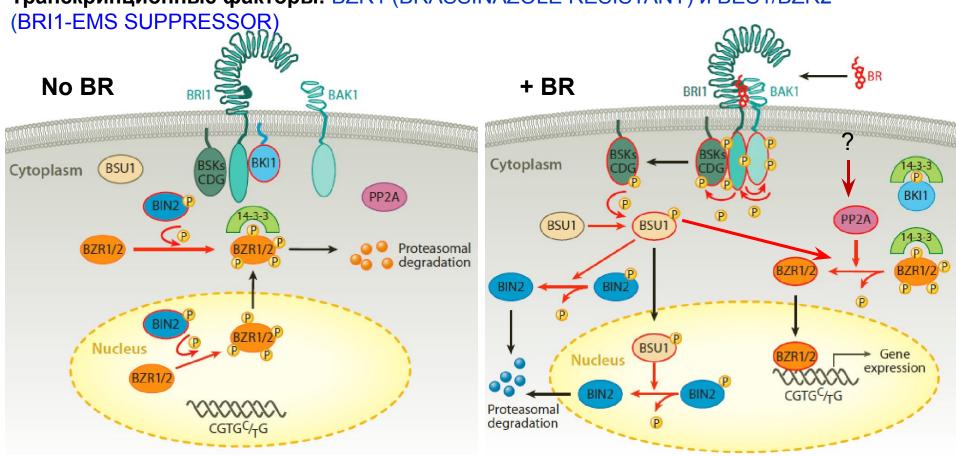
у брассиностероидов отсутствует система дальнего транспорта

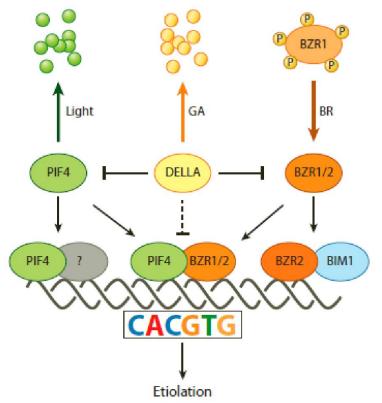
Сигналинг брассиностероидов

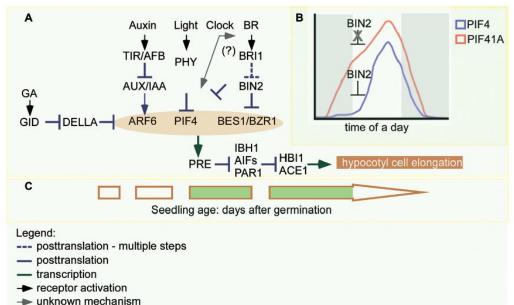
Рецепторы: гетеродимер Ser-Thr киназ BRI1 и BAK1 Компоненты сигнального каскада:

- •Ингибитор протеинкиназ BKI1 (BRI1 KINASE INHIBITOR 1)
- •Мембран-связанные протеинкиназы BSK (BR-SIGNALING KINASE) и CDG1 (CONSTITUTIVE DIFFERENTIAL GROWTH 1)
- •Протеинфосфатазы семейства PP1 BSU1 (BRI1-SUPPRESSOR 1) и семейства PP2A
- •Цитозольная протеинкиназа BIN2 (BRASSINOSTEROID INSENSITIVE 2)
- •Белки семейства 14-3-3 фосфопетид-связывающие белки

Транскрипционные факторы: BZR1 (BRASSINAZOLE RESISTANT) и BES1/BZR2



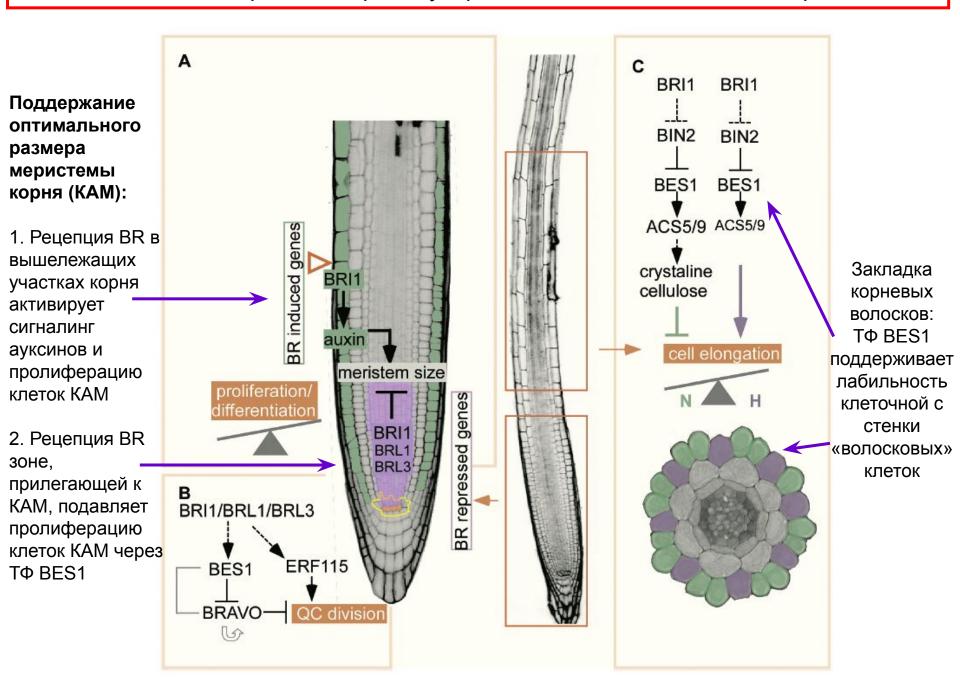




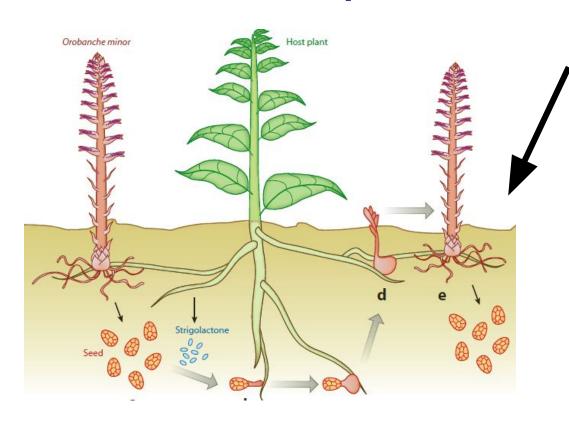
Взаимодействие брассиностероидов, ауксинов и гиббереллинов в негативном контроле фотоморфогенеза проростков:

- 1. Свет вызывает деградацию ТФ PIF4 (Phytochrome Interacting Factor 4), который обеспечивает программу этиолирования
- 2. GA вызывают деградацию транскрипционных репрессоров DELLA, которые подавляют программу этиолирования
- BR-зависимые ТФ BZR образуют гетеродимеры с PIF4 и запускают программу этиолирования

Стимуляция пролиферации и Дифференцировка клеток устьиц дифференцировки клеток на границе (мишени – киназы MAP-каскада YODA и листовых примордиев и в листьях МКК4, ТФ BES1; антагонисты- пептидные (мишень – ТФ CUC) гормоны ЕРГ) OSH1 В **EPF** BR CYP734A/BAS1-BRI1 ER BRI1 YODA L BIN₂ LOB BZR1 MKK4 ΤФ BES1/BZR1 CUC BES₁ SPCH (?) differentiation играют proliferation центральную poundary роль во всех BRзависимых **TDIF** BR **TDIF** процессах TDR BRI1 BRI1 TDR SPCH BIN₂ BIN₂ BIN₂ BR biosynthesis genes (?) BR signaling genes BES1 BES₁ ARF PAT (?) Закладка боковых корней (мишень - ТФ BES1, ауксин-зависимые ТФ Дифференцировка сосудов (мишень – ТФ lateral root formation ARF, активатор – CLE пептиды BES1, активатор – CLE пептиды группы В группы В (TDIF) и их рецептор (TDIF) и их рецептор TDR) TDR)



Стриголактоны

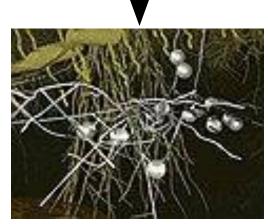


Функции:

- •Стимуляторы прорастания
- •Ингибиторы ветвления стебля
- •Регуляторы роста патогенов и симбионтов

Открыты как стимуляторы прорастания семян паразитических растений,

а также роста гиф арбускулярной микоризы

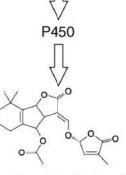




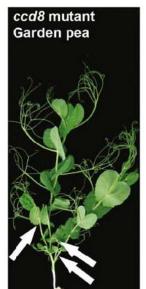


Carotenoid precursor(s)



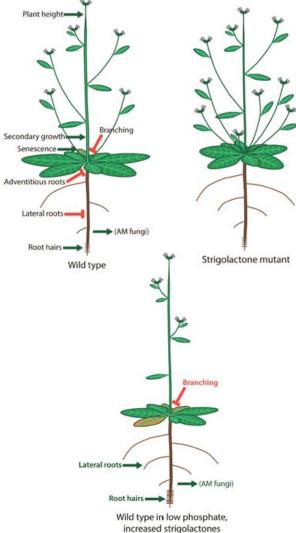






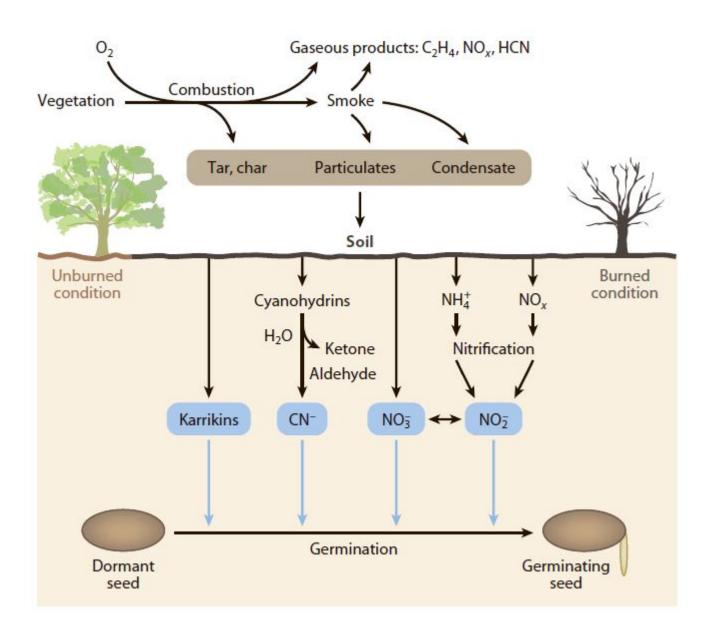


Стриголактоны – негативные регуляторы ветвления

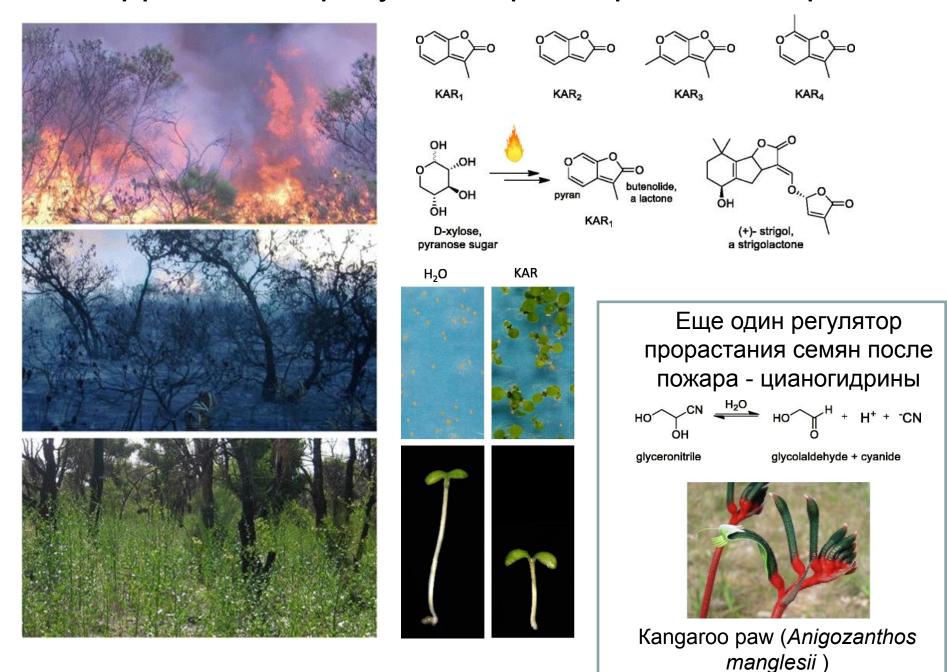




Каррикины – регуляторы прорастания



Каррикины образуются при сгорании сахаров

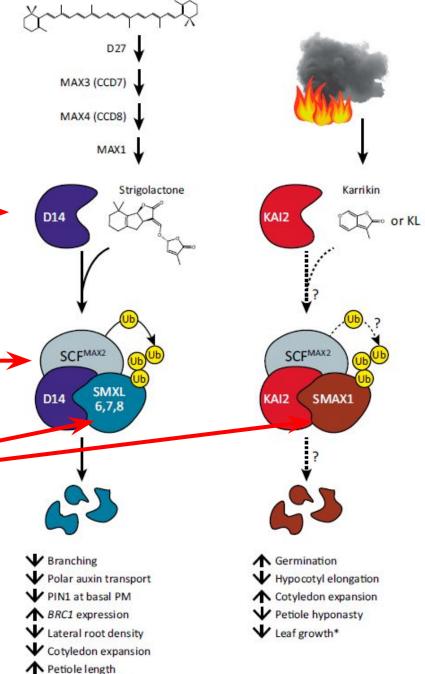


Единый механизм сигналинга стриголактонов и каррикинов

Рецепторы – α/β-гидролазы. Уникальны! Они гидролизуют свои лиганды! (НО: продукты гидролиза НЕ НУЖНЫ для передачи сигнала)

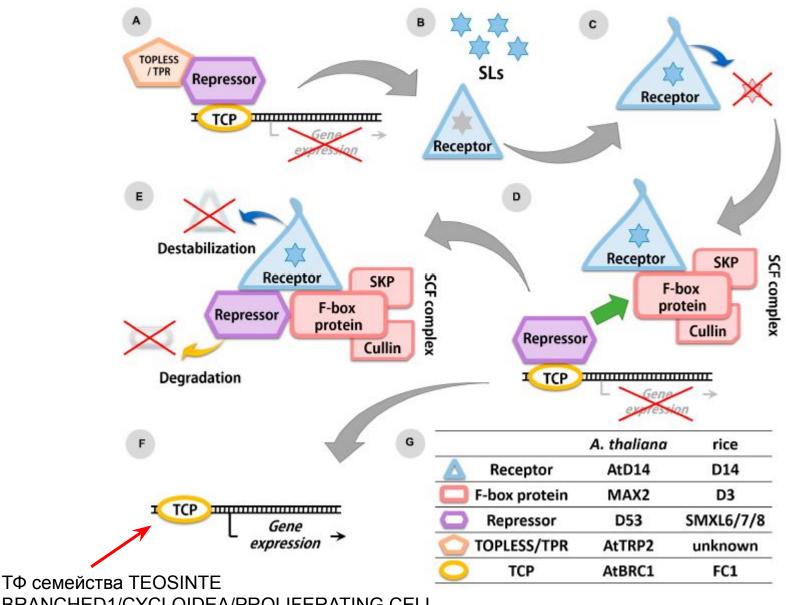
Убиквитин-лигазы с F-box белком MAX2 (относятся к семейству убиквитин-лигаз SKP1–CULLIN–F-box (SCF))

Репрессоры транскрипции



↑ Leaf length:width ratio

Рецепция и передача сигнала стриголактонов

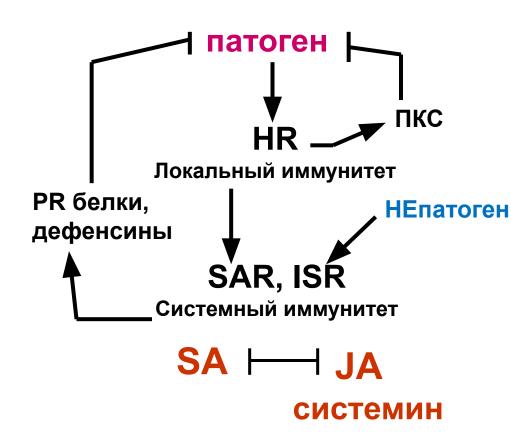


BRANCHED1/CYCLOIDEA/PROLIFERATING CELL FACTO- R1 family (TCP)





Фитогормоны и защита от патогенов



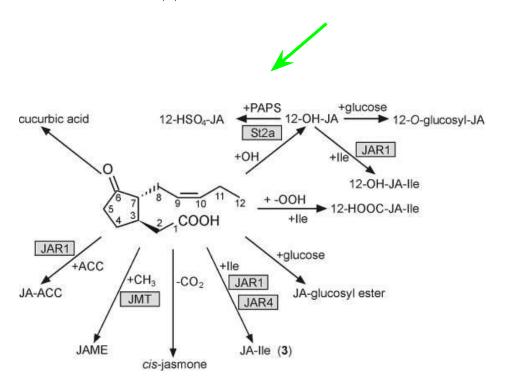
этилен

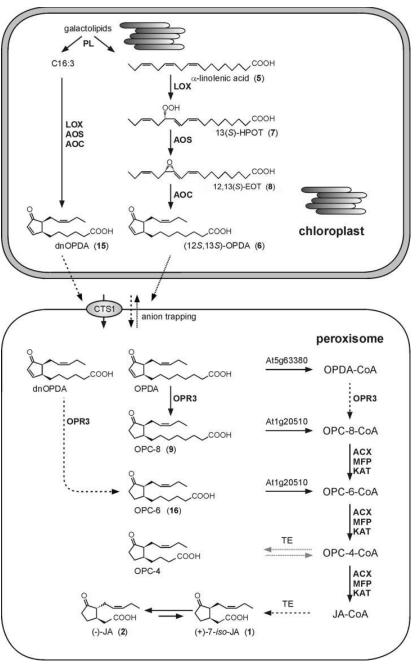
Жасмоновая кислота (ЈА)

Биосинтез ЈА

начинается в хлоропластах из α- линоленовой кислоты и заканчивается в пероксисомах.

Под действием ферментов **JAR** и **JMT** ЈА превращается в активные метаболиты, среди которых **JA-Ile** участвует в запуске ответа на воздействие патогена.



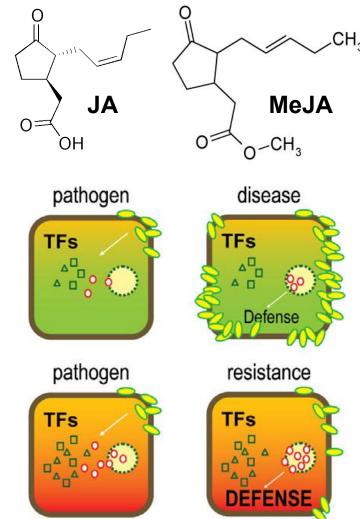


Up Down Pst DC3000 responsive genes Priming for defense Ctrl ISR Ctrl ISR JA ET 48% 52% P. fluorescens WCS417r other JA/ET

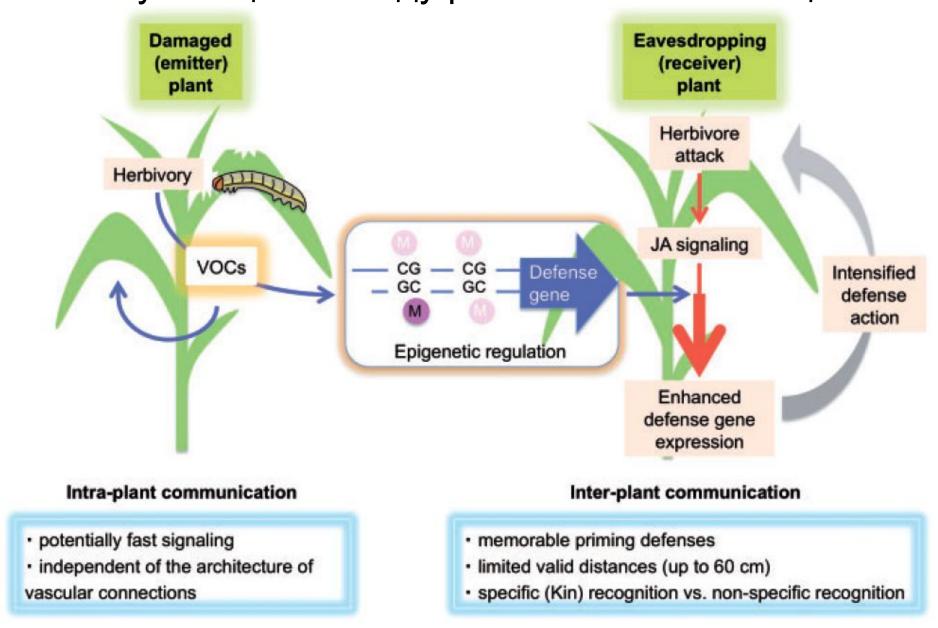
• В отсутствие патогена колонизация корней растения непатогенными микроорганизмами приводит к изменению экспресии более 100 генов, среди которых ген *МУС2*, кодирующий JA—зависимый ТФ

TES CONTINUED TES CONTINUED TES CONTINUED CONT

JA – медиатор индуцированной системной устойчивости (ISR)



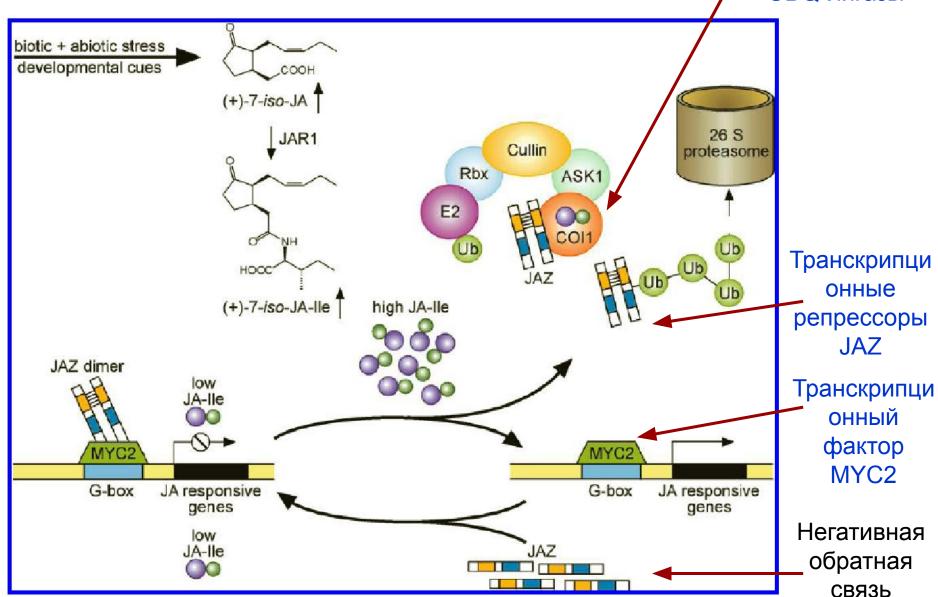
Летучие соединения (Volatile Compounds, VOCs) в коммуникациях между растениями и их защите



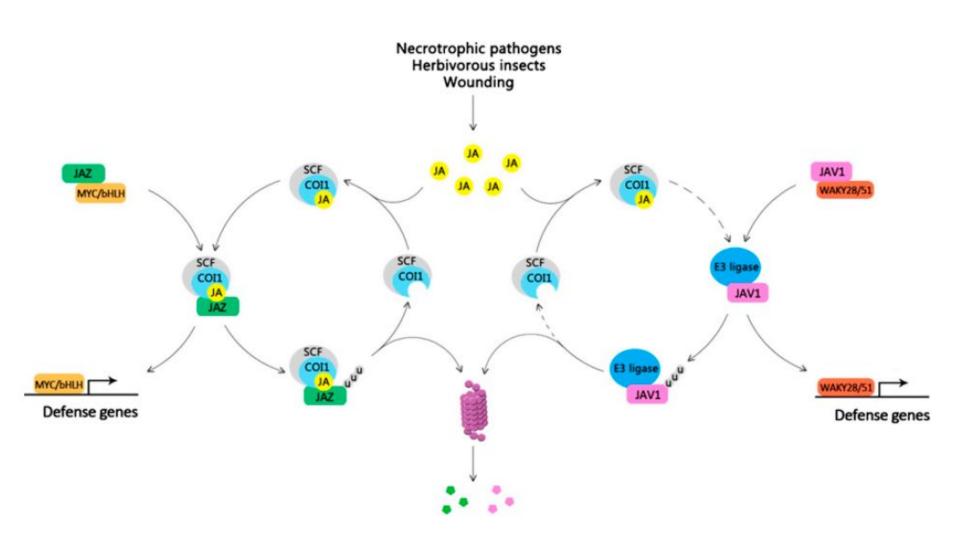
Сигналинг ЈА

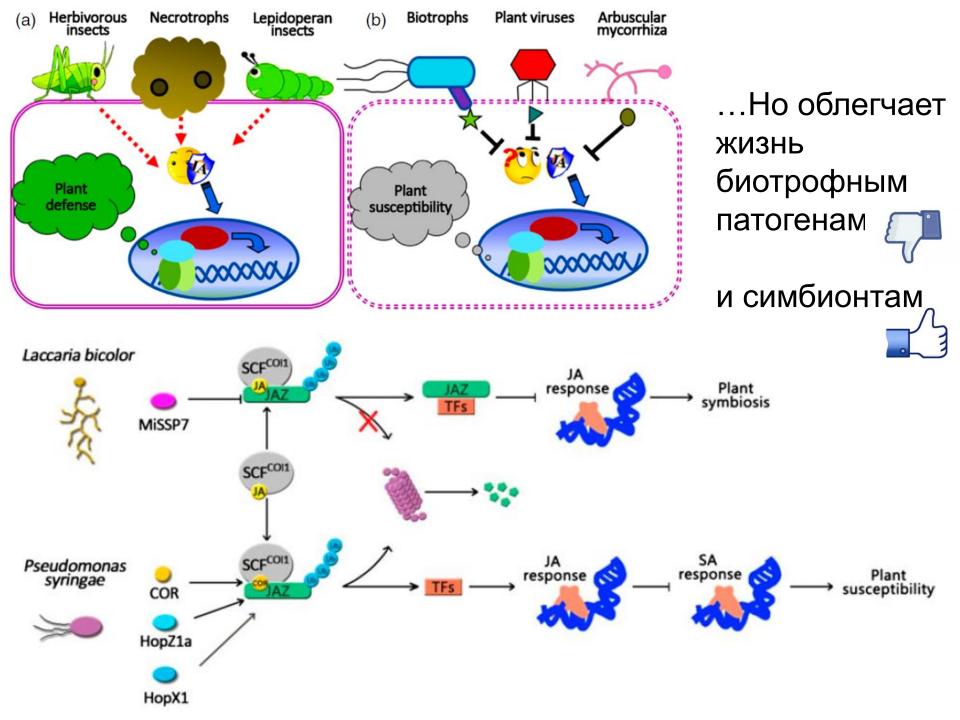
Короткий путь, основанный на убиквитинировании транскрипционных репрессоров

Рецептор COI – субъединица UBQ-лигазы

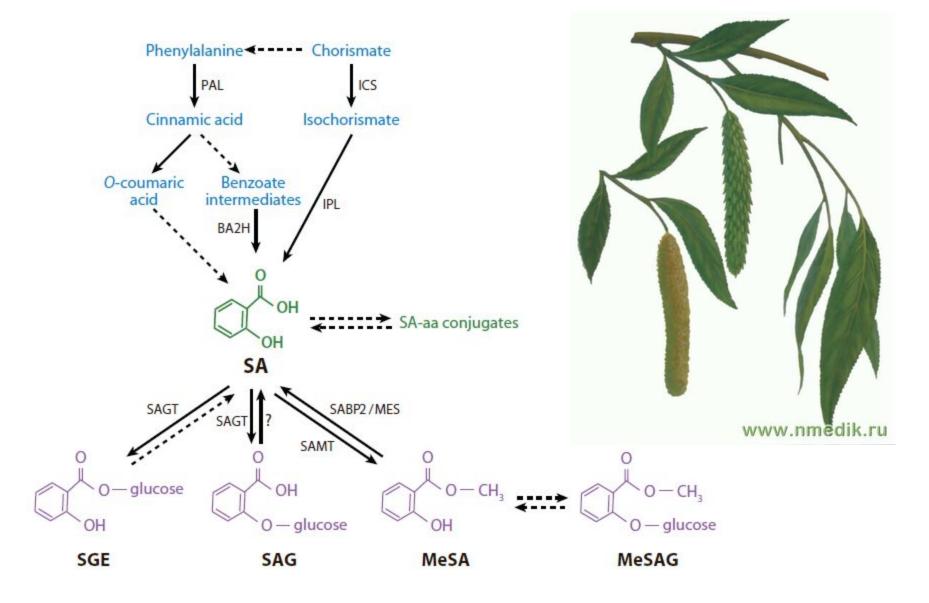


ЈА защищает растения от некротрофных патогенов...



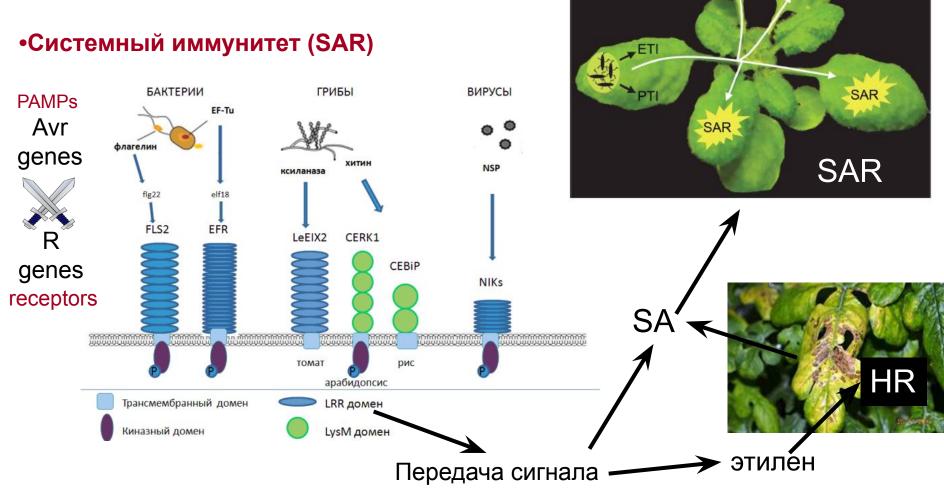


Салициловая кислота (SA)



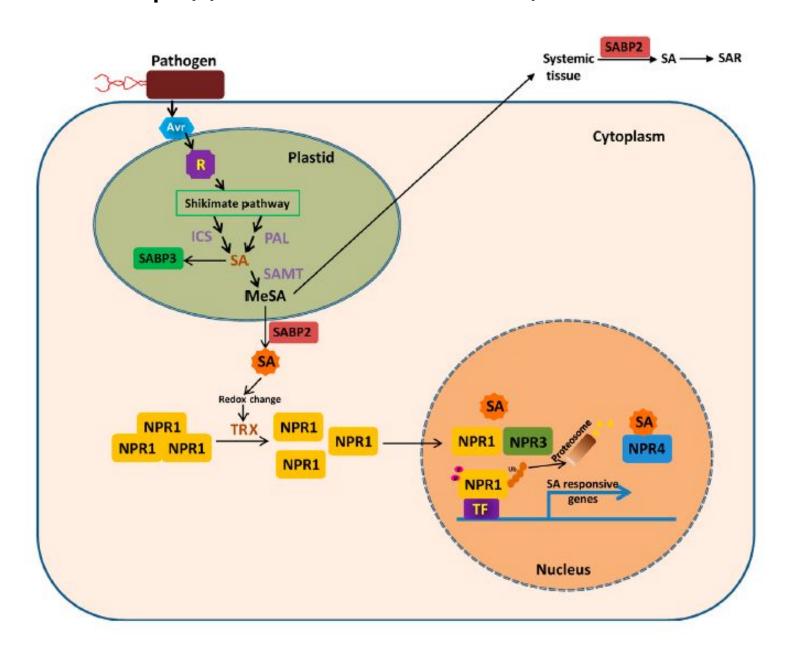
Функции SA:

- •Поддержание структуры хлоропластов
- •Защита от окислительного стресса
- •Закрывание устьиц
- •Термогенез



SAR

Схема передачи сигнала салициловой кислоты

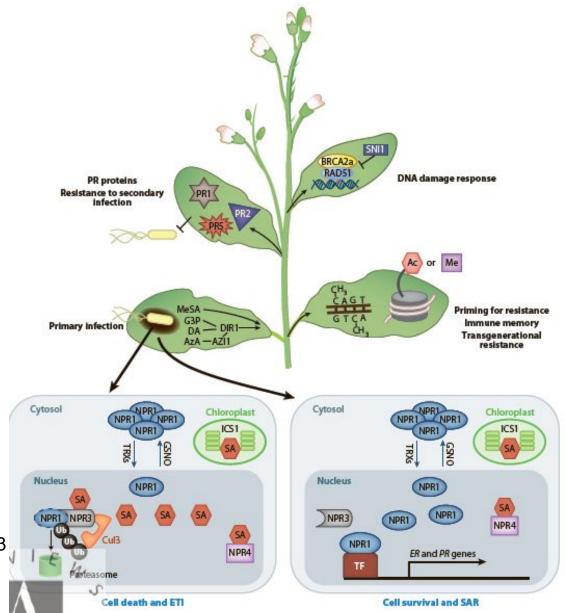


Предполагаемая схема сигналинга SA

NPR1 -**NPR4** – рецептор SA, субъединица UBQ-лигазы. Теряет активность при связывании SA! коактиватор транскрипции, центральный degradation регулятор иммунного ответа. NPR1 monomer 26S proteasome Активен в виде Basal defence моно- или димера, responses неактивен в виде олигомера. Мишень NPR3 и 4. **NPR3** – рецептор SA, субъединица-SAR genes activation UBQ-лигазы. При связывании SA, ee активность effectors усиливается NPR1 de-oligomerizație **TGA2** – PR1 promoter PR1 promoter NPR1 oligomer \

транскрицпионный репрессор, который при связывании с NPR1 становится активатором

Роль рецепторов салициловой к-ты в развитии местного и системного иммунитета



Системный иммунитет (SAR): долговременное небольшое повышение уровня SA, активация рецептора NPR4, активация ТФ NPR1, экспрессия «генов защиты»

Местный иммунитет (HR): кратковременное резкое повышение уровня SA, активация рецепеторов NPR3 и NPR4, деградация ТФ NPR1, некроз